МИНИСТЕРСТВО ЗДРАВООХРАНЕНИЯ РОССИЙСКОЙ ФЕДЕРАЦИИ

Федеральное государственное автономное образовательное учреждение высшего образования «Российский национальный исследовательский медицинский университет имени Н.И. Пирогова» Министерства здравоохранения Российской Федерации (ФГАОУ ВО РНИМУ им. Н.И. Пирогова Минздрава России)

Медико-биологический факультет

«УТВЕРЖДАЮ»
Декан медико-биологического факультета
д-р биол. наук, проф.
Е.Б. Прохорчук
«29» августа 2022 г

РАБОЧАЯ ПРОГРАММА ДИСЦИПЛИНЫ Б.1.О.31 ОСНОВЫ МОЛЕКУЛЯРНОЙ БИОЛОГИИ

для образовательной программы высшего образования программы специалитета по специальности

30.05.01 Медицинская биохимия

Настоящая рабочая программа дисциплины Б.1.О.31 «Основы молекулярной биологии» (Далее — рабочая программа дисциплины), является частью программы специалитета по специальности 30.05.01 Медицинская биохимия

Направленность (профиль) образовательной программы: Медицинская биохимия Форма обучения: очная.

Рабочая программа дисциплины подготовлена на кафедре молекулярной биологии и медицинской биотехнологии медико-биологического факультета (далее – кафедра) ФГАОУ ВО РНИМУ им. Н.И. Пирогова Минздрава России авторским коллективом под руководством Прохорчука Е.Б., доктора биологических наук, член-корреспондента РАН.

Составители:

No	Фамилия, Имя,	Ученая степень,	Занимаемая	Основное место	Подпись
п.п.	Отчество	ученое звание	должность	работы	
1.	Мельникова Лариса	Д-р биол. наук	Профессор	ФГБУН Институт	
	Сергеевна		кафедры	биологии гена	
			молекулярной	Российской	
			биологии и	академии наук	
			медицинской	(ИБГ РАН)	
			биотехнологии		
			МБФ		
2.	Головнин Антон	Д-р биол. наук,	Профессор	ФГБУН Институт	
	Клеменсович	профессор РАН	кафедры	биологии гена	
			молекулярной	Российской	
			биологии и	академии наук	
			медицинской	(ИБГ РАН)	
			биотехнологии		
			МБФ		

Рабочая программа дисциплины рассмотрена и одобрена на заседании кафедры (Протокол № 10 от <27>» июня 2022 г.).

Рабочая программа дисциплины рекомендована к утверждению рецензентами:

No	Фамилия, Имя,	Ученая степень,	Занимаемая	Основное место	Подпись
п.п.	Отчество	ученое звание	должность	работы	
1.	Чудаков Дмитрий	Д-р мед. наук,	И.о. директора	НИИ	
	Михайлович	проф.,	НИИ	трансляционной	
		член-корреспондент	трансляционной	медицины	
		PAH	медицины	ФГАОУ ВО	
			зав. отделом	РНИМУ	
			молекулярных	им. Н.И. Пирогова	
			технологий	Минздрава России	

Рабочая программа дисциплины рассмотрена и одобрена советом медикобиологического факультета, протокол № 1 от «29» августа 2022 г. Нормативно-правовые основы разработки и реализации рабочей программы дисциплины:

- 1) Образовательный стандарт высшего образования по специальности 30.05.01 Медицинская биохимия, утвержденный приказом ФГАОУ ВО РНИМУ им. Н.И. Пирогова Минздрава России от 29.05.2020 № 365 рук.
 - 2) Общая характеристика образовательной программы.
 - 3) Учебный план образовательной программы.
 - 4) Устав и локальные акты Университета.

[©] Федеральное государственное автономное образовательное учреждение высшего образования «Российский национальный исследовательский медицинский университет имени Н.И. Пирогова» Министерства здравоохранения Российской Федерации.

1. Общие положения

1.1. Цель и задачи освоения дисциплины

1.1.1. Целью освоения дисциплины является:

- ознакомление с основными этапами развития и современным состоянием наук «Молекулярная биология» и «Генетика»;
- формирование знаний о фундаментальных понятиях молекулярной биологии и генетики;
- ознакомление с организацией и функционированием молекулярно-генетических систем;
- формирование навыков анализа медико-биологических социально-значимых проблем с точки зрения лежащих в их основе молекулярных процессов;
- обучение студентов использованию на практике методов молекулярно-биологических исследований;
- выявление тесной связи молекулярной биологии и генетики с другими медицинскими дисциплинами, практическим здравоохранением;
- формирование современного естественно-научного мировоззрения на основе знания механизмов передачи и реализации генетической информации;

1.1.2. Задачи, решаемые в ходе освоения программы дисциплины:

- приобретение студентами знаний в области фундаментальной и прикладной молекулярной биологии;
- формирование у студентов представлений о патологических состояниях как результате нарушения молекулярных механизмов внутриклеточных процессов;
- ознакомление студентов с основными технологиями структурного и функционального анализа биополимеров, включая компьютерные программы и алгоритмы исследования нуклеотидных и белковых последовательностей;
- обучение студентов важнейшим методам молекулярной биологии и генной инженерии, позволяющим проводить основные этапы молекулярной диагностики;
- формирование навыков изучения и анализа научной и практической медицинской и медико-биологической литературы.

1.2. Место дисциплины в структуре образовательной программы

Дисциплина «Основы молекулярной биологии» изучается в восьмом семестре и относится к обязательной части Блока Б1 Дисциплины. Является обязательной дисциплиной.

Общая трудоемкость дисциплины составляет 5 з.е.

Для успешного освоения настоящей дисциплины обучающиеся должны освоить следующие дисциплины: Биология, Иностранный язык, Общая и неорганическая химия,

Органическая химия, Физическая и коллоидная химия, Биохимия, Микробиология и вирусология.

Знания, умения и опыт практический деятельности, приобретенные при освоении настоящей дисциплины, необходимы для успешного освоения следующих дисциплин: Функционирование генов и геномов, Иммунология, Молекулярная фармакология, Биоинформатика, Медицинские нанобиотехнологии, Медицинская генетика, Клиническая лабораторная диагностика, а также прохождения практик: Практика по созданию животных моделей, Практика по иммунологии, Практика по клинической лабораторной диагностике, Практика по молекулярной биологии, Преддипломная, НИР и для выполнения выпускной квалификационной работы.

1.3. Перечень планируемых результатов обучения по дисциплине, соотнесенных с планируемыми результатами освоения образовательной программы:

8 семестр.

Код и наименование компетенции				
Код и наименование				
индикатора достижения	(урове	нь сформированности индикатора (компетенции))		
компетенции				
	Универсальные компетенции			
	УК-1.Способен осуществлять критический анализ проблемных ситуаций на основе системного подхода,			
вырабатывать стратегию действ				
УК-1. ИД1 – Анализирует проблемную ситуацию как систему, выявляя ее	Знать:	Основные понятия и законы молекулярной биологии, основные методы и средства анализа в современной молекулярной биологии		
составляющие и связи между ними	Уметь:	Предложить адекватный, в том числе междисциплинарный, подход для поиска взаимосвязи между нарушениями в структуре и функционировании генов (генома) и патологическими процессами		
	Владеть практическим опытом (трудовыми действиями):	Владеть навыками выбора подходящих моделей и методов исследования проблемных ситуаций		
		сиональные компетенции		
ОПК-1. Способен использова	ть и применять фунд	аментальные и прикладные медицинские, естественнонаучные		
знания для постановки и	решения стандартны	х и инновационных задач профессиональной деятельности		
ОПК-1.ИД1 – Применяет	Знать:	Структуру макромолекул, принципы и механизмы их		
фундаментальные		воспроизведения, сохранения и функционирования		
естественнонаучные знания для решения профессиональных задач.	Уметь:	Анализировать молекулярно-биологические процессы на основе знания принципов и механизмов функционирования важнейших макромолекул		
	Владеть практическим опытом (трудовыми действиями):	Владеть навыками анализа и синтеза данных в области молекулярной биологии		
ОПК-1.ИД2 - Применяет	Знать:	Основные понятия и принципы молекулярной биологии		
прикладные	Уметь:	Воспроизводить основные молекулярно-биологические методы		
естественнонаучные знания для решения профессиональных задач.		исследования для решения задач медико-биологических исследований		
	Владеть практическим опытом	Владеть методическими навыками для изучения природы и механизмов молекулярно-биологических процессов		

	(трудовыми	
	действиями):	
ОПК-3. Способен использова	-	анное диагностическое и лечебное оборудование, применять
медицинские изделия	•	
и генно-инженерные технологи	и, предусмотренные	порядками оказания медицинской помощи
ОПК-3.ИД1 - Применяет	Знать:	Правила техники безопасности при работе в лаборатории.
диагностическое		Методы оценки точности и калибровки лабораторного
оборудование для решения		оборудования.
профессиональных задач.	Уметь:	Использовать различное лабораторное оборудование для
	v MvID.	решения экспериментальных задач. Оценивать результаты
		измерения и погрешности.
	Владеть	Навыками работы с лабораторным оборудованием:
		центрифугой, камерой для горизонтального электрофореза,
	практическим	
	ОПЫТОМ	
	(трудовыми	амплификатором ДНК, термостататами, весами аналитическими,
OFFIC 2 HIP2	действиями):	трансиллюминатором, спектрофотометром, термошейкером.
ОПК-3.ИДЗ – Использует	Знать:	Основные принципы создания гено-инженерных продуктов
медицинские изделия,		(рекомбинантных молекул ДНК и белков.
лекарственных средства,	Уметь:	Выбирать адекватные гено-инженерные и геномные технологии
клеточные продукты и генно-		для решения фундаментальных и практических задач в области
инженерные технологии в		молекулярной биологии и молекулярной медицины
медицинских и научных	Владеть	Навыками работы с нуклеиновыми кислотами; инструментами,
исследованиях.	практическим	используемыми для внесения направленных модификаций в
	опытом	ДНК, методами анализа генов и геномов.
	(трудовыми	ATTY, MOTOGRAMM GILGINGS IT TOHOMOS.
	действиями):	
ПК-5. Способен проводить нау		в области молекулярной медицины и молекулярной биологии.
ПК-5.ИД1 – Собирает и	Знать:	Основные виды научной, научно-практической и аналитической
обрабатывает научную и	JIIGID.	информации в области генетики, молекулярной биологии и
научно-техническую		
, -	Vivori :	молекулярной медицины
информацию, в результате	Уметь:	Приобретать новые знания в области молекулярной биологии,
чего формулирует	D	используя современные информационные технологии
проверяемые гипотезы в	Владеть	Составлять аналитические обзоры на основе данных из
области молекулярной	практическим	различных источников научной, научно-практической и
медицины и молекулярной	ОПЫТОМ	аналитической информации в области молекулярной биологии.
биологии.	(трудовыми	Формулировать выводы из массива современных знаний и
	действиями):	гипотезы, объясняющие механизмы функционирования
		важнейших макромолекул.
ПК-5.ИД2 – Проводит	Знать:	Основные направления научных исследований в генетике,
исследования, наблюдения,		молекулярной биологии и молекулярной медицине
эксперименты, измерения для	Уметь:	Формулировать задачи исследований в области молекулярной
проверки гипотез в области		биологии и молекулярной медицины
молекулярной медицины и	Владеть	Навыками детального и поэтапного планирования исследования,
молекулярной биологии.	практическим	документирования и анализа полученных результатов.
	ОПЫТОМ	,,, , ,
	(трудовыми	
	(трудовыми действиями):	
ПК-5.ИДЗ – Формулирует	Знать:	Основы системного подхода для изучения молекулярно-
	Эпать.	* 1
выводы по итогам	V	биологических процессов, проходящих в клетке
исследований, наблюдений,	Уметь:	Обобщать собственные экспериментальные результаты,
экспериментов, измерений в		формулировать новые идеи и выводы, генерировать гипотезы,
области молекулярной		объясняющие природу и механизмы молекулярно-
медицины и молекулярной		биологических процессов
биологии.	Владеть	Владеть навыками изучения молекулярно-биологических
	практическим	процессов в клетке, опираясь на комплекс экспериментальных,
	ОПЫТОМ	естественнонаучных и статистических методов.
	(трудовыми	
	действиями):	
· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	·	

2. Формы работы обучающихся, виды учебных занятий и их трудоёмкость

Ф	Формы работы обучающихся / Виды учебных занятий/ Рормы промежуточной аттестации	Всего часов	Распределение часов по семестрам 8
	Учебные занятия		
Контактная р	абота обучающихся с преподавателем в	108	108
семестре (КР),	в т.ч.:		
Лекционное зан	иятие (ЛЗ)	36	36
Семинарское за	нятие (СЗ)		
Практическое з	анятие (ПЗ)	12	12
Практикум (П)			
Лабораторно-пр	рактическое занятие (ЛПЗ)	44	44
Лабораторная р	абота (ЛР)		
Клинико-практ	ические занятие (КПЗ)		
Специализиров	анное занятие (СПЗ)		
Комбинировани	ное занятие (КЗ)		
Коллоквиум (К		12	12
Контрольная ра	бота (КР)		
Итоговое занят	ие (ИЗ)	4	4
Групповая конс	сультация (ГК)		
Конференция (І	Конф.)		
Иные виды заня	ятий		
Самостоятель	ьная работа обучающихся в семестре (СРО), в	72	72
т.ч.			
Подготовка к уч	чебным аудиторным занятиям	20	20
Подготовка ист	ории болезни		
Подготовка кур	совой работы		
Подготовка реф	рерата	16	16
Подготовка про	отокола патолого-анатомического вскрытия		
•	Промежуточная аттестация		
Контактная р	абота обучающихся в ходе промежуточной		
аттестации (1			
Зачёт (3)			
Защита курсово	ой работы (ЗКР)		
Экзамен (Э)**		9	9
Самостоятель	ная работа обучающихся при подготовке к		
промежуточно	ой аттестации (СРПА), в т.ч.		
Подготовка к эн	кзамену**	27	27
Общая		180	180
трудоемкость	в часах: ОТД = КР+СРС+КРПА+СРПА		
дисциплины (ОТД)	в зачетных единицах: ОТД (в часах):36	5	5

3. Содержание дисциплины

3.1. Содержание разделов, тем дисциплины

№	Шифр	Наименование раздела, темы	Содержание раздела и темы		
п/п	компетенции	дисциплины	в дидактических единицах		
1	2	3	4		
Pas	Раздел 1 Введение в предмет. Задачи и основные этапы развития молекулярной биологии и генетики.				
		Современное со	стояние науки		
1.	УК-1.ИД1	Тема 1. История развития	Открытие основных законов генетики:		
1	, ,	генетики и молекулярной	предшественники Менделя, основные заслуги		
	ОПК-1.ИД1	биологии. Основные законы	Менделя, его законы. Парадокс Менделя. Вторичное		

		T	
	ОПК-1.ИД2	генетики. Взаимосвязь генетики	открытие законов Менделя. Начало бурного
	ПК-5.ИД1	и молекулярной биологии	развития менделизма. Основные типы
	ПК-5.ИД2		взаимодействия генов (комплементарность, эпистаз, полимерия, плейотропия, энхансерные и
	ПК-5.ИДЗ		супрессорные гены). Закон Харди-Вайнберга.
	1111 011140		Хромосомная теория наследственности как
			фундаментальное объединение до сих пор
			разрозненных дисциплин: цитологии и генетики.
			Дрозофила как основной модельный организм для
			открытия основных законов современной генетики:
			Морган и его ученики. Сцепленное с полом наследование, группа сцепления, кроссинговер,
			линейное расположение генов, интерференция,
			генетические карты, политенные хромосомы.
			Митотическая и мейотическая рекомбинация.
			Пенетрантность и экспрессивность. Хромосомные
			перестройки: инверсии, делеции, транслокации,
			транспозиции.
			Пролегомены молекулярной биологии – концепция матрицы Кольцова (и Колли). Классификация
			мутаций. Бактериальная трансформация (Гриффитс).
			Зеленая тетрадь (1935) и квантование гена – теория
			мишени, размер гена: Тимофеев-Рессовский,
			Циммер, Дельбрюк – биология становится
			молекулярной. От дрозофилы к нейроспоре –
			зарождение биохимической генетики, один ген –
			один фермент (Бидл и Татум). Индуцированный
			химический мутагенез – управление получением искусственных мутаций – основной инструмент
			экспериментальной молекулярной генетики.
	!	Раздел 2. Структура, свойства и	
		20 02 1	·
	VV 1 ИП1	Тема 2. От нуклеотилов к	Пентральная логма молекулярной биологии. Опыты
	УК-1.ИД1	Тема 2. От нуклеотидов к геномам: структура и функции	Центральная догма молекулярной биологии. Опыты Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент
	ОПК-1.ИД1		Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Эвери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и
	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2	геномам: структура и функции	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Эвери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры
	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1	геномам: структура и функции	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Эвери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры двойной спирали ДНК. Нуклеозиды и нуклеотиды.
2	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2	геномам: структура и функции	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Эвери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры двойной спирали ДНК. Нуклеозиды и нуклеотиды. Большая и малая бороздки двойной спирали ДНК,
2.	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1	геномам: структура и функции	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Эвери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры двойной спирали ДНК. Нуклеозиды и нуклеотиды. Большая и малая бороздки двойной спирали ДНК, взаимодействия с белками. А-, В-, Z-форма ДНК.
2.	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2	геномам: структура и функции	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Эвери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры двойной спирали ДНК. Нуклеозиды и нуклеотиды. Большая и малая бороздки двойной спирали ДНК, взаимодействия с белками. А-, В-, Z-форма ДНК. Неканоническое спаривание оснований и
2.	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2	геномам: структура и функции	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Эвери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры двойной спирали ДНК. Нуклеозиды и нуклеотиды. Большая и малая бороздки двойной спирали ДНК, взаимодействия с белками. А-, В-, Z-форма ДНК.
2.	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2	геномам: структура и функции	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Эвери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры двойной спирали ДНК. Нуклеозиды и нуклеотиды. Большая и малая бороздки двойной спирали ДНК, взаимодействия с белками. А-, В-, Z-форма ДНК. Неканоническое спаривание оснований и неканонические структуры в ДНК. Плавление и суперспирализация ДНК. Топоизомеразы. Хатимодзи-ДНК и синтетическая геномика.
2.	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2	геномам: структура и функции	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Эвери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры двойной спирали ДНК. Нуклеозиды и нуклеотиды. Большая и малая бороздки двойной спирали ДНК, взаимодействия с белками. А-, В-, Z-форма ДНК. Неканоническое спаривание оснований и неканонические структуры в ДНК. Плавление и суперспирализация ДНК. Топоизомеразы. Хатимодзи-ДНК и синтетическая геномика. Структура РНК. РНК-связывающие белки.
2.	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3	геномам: структура и функции нуклеиновых кислот	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Эвери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры двойной спирали ДНК. Нуклеозиды и нуклеотиды. Большая и малая бороздки двойной спирали ДНК, взаимодействия с белками. А-, В-, Z-форма ДНК. Неканоническое спаривание оснований и неканонические структуры в ДНК. Плавление и суперспирализация ДНК. Топоизомеразы. Хатимодзи-ДНК и синтетическая геномика. Структура РНК. РНК-связывающие белки. Модификации РНК. Функции РНК в клетке.
2.	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3	геномам: структура и функции	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Эвери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры двойной спирали ДНК. Нуклеозиды и нуклеотиды. Большая и малая бороздки двойной спирали ДНК, взаимодействия с белками. А-, В-, Z-форма ДНК. Неканоническое спаривание оснований и неканонические структуры в ДНК. Плавление и суперспирализация ДНК. Топоизомеразы. Хатимодзи-ДНК и синтетическая геномика. Структура РНК. РНК-связывающие белки. Модификации РНК. Функции РНК в клетке.
2.	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3	геномам: структура и функции нуклеиновых кислот	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Эвери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры двойной спирали ДНК. Нуклеозиды и нуклеотиды. Большая и малая бороздки двойной спирали ДНК, взаимодействия с белками. А-, В-, Z-форма ДНК. Неканоническое спаривание оснований и неканонические структуры в ДНК. Плавление и суперспирализация ДНК. Топоизомеразы. Хатимодзи-ДНК и синтетическая геномика. Структура РНК. РНК-связывающие белки. Модификации РНК. Функции РНК в клетке. Три возможных сценария репликации. Эксперимент Мезельсона и Сталя. Структура ДНК-полимераз.
2.	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3	геномам: структура и функции нуклеиновых кислот	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Эвери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры двойной спирали ДНК. Нуклеозиды и нуклеотиды. Большая и малая бороздки двойной спирали ДНК, взаимодействия с белками. А-, В-, Z-форма ДНК. Неканоническое спаривание оснований и неканонические структуры в ДНК. Плавление и суперспирализация ДНК. Топоизомеразы. Хатимодзи-ДНК и синтетическая геномика. Структура РНК. РНК-связывающие белки. Модификации РНК. Функции РНК в клетке. Три возможных сценария репликации. Эксперимент Мезельсона и Сталя. Структура ДНК-полимераз. Основные ДНК-полимеразы кишечной палочки.
2.	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3	геномам: структура и функции нуклеиновых кислот	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Эвери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры двойной спирали ДНК. Нуклеозиды и нуклеотиды. Большая и малая бороздки двойной спирали ДНК, взаимодействия с белками. А-, В-, Z-форма ДНК. Неканоническое спаривание оснований и неканонические структуры в ДНК. Плавление и суперспирализация ДНК. Топоизомеразы. Хатимодзи-ДНК и синтетическая геномика. Структура РНК. РНК-связывающие белки. Модификации РНК. Функции РНК в клетке. Три возможных сценария репликации. Эксперимент Мезельсона и Сталя. Структура ДНК-полимераз.
2.	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3 УК-1.ИД1 ОПК-1.ИД1	геномам: структура и функции нуклеиновых кислот	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Эвери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры двойной спирали ДНК. Нуклеозиды и нуклеотиды. Большая и малая бороздки двойной спирали ДНК, взаимодействия с белками. А-, В-, Z-форма ДНК. Неканоническое спаривание оснований и неканонические структуры в ДНК. Плавление и суперспирализация ДНК. Топоизомеразы. Хатимодзи-ДНК и синтетическая геномика. Структура РНК. РНК-связывающие белки. Модификации РНК. Функции РНК в клетке. Три возможных сценария репликации. Эксперимент Мезельсона и Сталя. Структура ДНК-полимераз. Основные ДНК-полимеразы кишечной палочки. Структура РоПП. Точность и процессивность ДНК-полимераз. Строение прокариотической реплисомы. Инициация репликации у прокариот, регуляция
2.	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3 УК-1.ИД1 ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2	геномам: структура и функции нуклеиновых кислот	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Эвери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры двойной спирали ДНК. Нуклеозиды и нуклеотиды. Большая и малая бороздки двойной спирали ДНК, взаимодействия с белками. А-, В-, Z-форма ДНК. Неканоническое спаривание оснований и неканонические структуры в ДНК. Плавление и суперспирализация ДНК. Топоизомеразы. Хатимодзи-ДНК и синтетическая геномика. Структура РНК. РНК-связывающие белки. Модификации РНК. Функции РНК в клетке. Три возможных сценария репликации. Эксперимент Мезельсона и Сталя. Структура ДНК-полимераз. Основные ДНК-полимеразы кишечной палочки. Структура РоШІ. Точность и процессивность ДНК-полимераз. Строение прокариотической реплисомы. Инициация репликации у прокариот, регуляция инициации. Прерывистый характер синтеза на
	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3 УК-1.ИД1 ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1	геномам: структура и функции нуклеиновых кислот	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Эвери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры двойной спирали ДНК. Нуклеозиды и нуклеотиды. Большая и малая бороздки двойной спирали ДНК, взаимодействия с белками. А-, В-, Z-форма ДНК. Неканоническое спаривание оснований и неканонические структуры в ДНК. Плавление и суперспирализация ДНК. Топоизомеразы. Хатимодзи-ДНК и синтетическая геномика. Структура РНК. РНК-связывающие белки. Модификации РНК. Функции РНК в клетке. Три возможных сценария репликации. Эксперимент Мезельсона и Сталя. Структура ДНК-полимераз. Основные ДНК-полимеразы кишечной палочки. Структура РоПП. Точность и процессивность ДНК-полимераз. Строение прокариотической реплисомы. Инициация репликации у прокариот, регуляция инициации. Прерывистый характер синтеза на отстающей цепи и фрагменты Оказаки. Терминация
	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3 УК-1.ИД1 ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2	геномам: структура и функции нуклеиновых кислот	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Эвери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры двойной спирали ДНК. Нуклеозиды и нуклеотиды. Большая и малая бороздки двойной спирали ДНК, взаимодействия с белками. А-, В-, Z-форма ДНК. Неканоническое спаривание оснований и неканонические структуры в ДНК. Плавление и суперспирализация ДНК. Топоизомеразы. Хатимодзи-ДНК и синтетическая геномика. Структура РНК. РНК-связывающие белки. Модификации РНК. Функции РНК в клетке. Три возможных сценария репликации. Эксперимент Мезельсона и Сталя. Структура ДНК-полимераз. Основные ДНК-полимеразы кишечной палочки. Структура РоШІ. Точность и процессивность ДНК-полимераз. Строение прокариотической реплисомы. Инициация репликации у прокариот, регуляция инициации. Прерывистый характер синтеза на отстающей цепи и фрагменты Оказаки. Терминация репликации. Эукариотический ориджин. Активация
	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3 УК-1.ИД1 ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2	геномам: структура и функции нуклеиновых кислот	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Эвери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры двойной спирали ДНК. Нуклеозиды и нуклеотиды. Большая и малая бороздки двойной спирали ДНК, взаимодействия с белками. А-, В-, Z-форма ДНК. Неканоническое спаривание оснований и неканонические структуры в ДНК. Плавление и суперспирализация ДНК. Топоизомеразы. Хатимодзи-ДНК и синтетическая геномика. Структура РНК. РНК-связывающие белки. Модификации РНК. Функции РНК в клетке. Три возможных сценария репликации. Эксперимент Мезельсона и Сталя. Структура ДНК-полимераз. Основные ДНК-полимеразы кишечной палочки. Структура РоШІ. Точность и процессивность ДНК-полимераз. Строение прокариотической реплисомы. Инициация репликации у прокариот, регуляция инициации. Прерывистый характер синтеза на отстающей цепи и фрагменты Оказаки. Терминация репликации. Эукариотический ориджин. Активация ориджина и предотвращение повторной активации.
	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3 УК-1.ИД1 ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2	геномам: структура и функции нуклеиновых кислот	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Эвери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры двойной спирали ДНК. Нуклеозиды и нуклеотиды. Большая и малая бороздки двойной спирали ДНК, взаимодействия с белками. А-, В-, Z-форма ДНК. Неканоническое спаривание оснований и неканонические структуры в ДНК. Плавление и суперспирализация ДНК. Топоизомеразы. Хатимодзи-ДНК и синтетическая геномика. Структура РНК. РНК-связывающие белки. Модификации РНК. Функции РНК в клетке. Три возможных сценария репликации. Эксперимент Мезельсона и Сталя. Структура ДНК-полимераз. Основные ДНК-полимеразы кишечной палочки. Структура РоШІ. Точность и процессивность ДНК-полимераз. Строение прокариотической реплисомы. Инициация репликации у прокариот, регуляция инициации. Прерывистый характер синтеза на отстающей цепи и фрагменты Оказаки. Терминация репликации. Эукариотический ориджин. Активация
	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3 УК-1.ИД1 ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2	геномам: структура и функции нуклеиновых кислот	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Эвери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры двойной спирали ДНК. Нуклеозиды и нуклеотиды. Большая и малая бороздки двойной спирали ДНК, взаимодействия с белками. А-, В-, Z-форма ДНК. Неканоническое спаривание оснований и неканонические структуры в ДНК. Плавление и суперспирализация ДНК. Топоизомеразы. Хатимодзи-ДНК и синтетическая геномика. Структура РНК. РНК-связывающие белки. Модификации РНК. Функции РНК в клетке. Три возможных сценария репликации. Эксперимент Мезельсона и Сталя. Структура ДНК-полимераз. Основные ДНК-полимеразы кишечной палочки. Структура PolIII. Точность и процессивность ДНК-полимераз. Строение прокариотической реплисомы. Инициация репликации у прокариот, регуляция инициации. Прерывистый характер синтеза на отстающей цепи и фрагменты Оказаки. Терминация репликации. Эукариотический ориджин. Активация ориджина и предотвращение повторной активации. Эукариотическая реплисома и процессинг
	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3 УК-1.ИД1 ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2	геномам: структура и функции нуклеиновых кислот Тема 3. Репликация ДНК	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Звери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры двойной спирали ДНК. Нуклеозиды и нуклеотиды. Большая и малая бороздки двойной спирали ДНК, взаимодействия с белками. А-, В-, Z-форма ДНК. Неканоническое спаривание оснований и неканонические структуры в ДНК. Плавление и суперспирализация ДНК. Топоизомеразы. Хатимодзи-ДНК и синтетическая геномика. Структура РНК. РНК-связывающие белки. Модификации РНК. Функции РНК в клетке. Три возможных сценария репликации. Эксперимент Мезельсона и Сталя. Структура ДНК-полимераз. Основные ДНК-полимеразы кишечной палочки. Структура РоПП. Точность и процессивность ДНК-полимераз. Строение прокариотической реплисомы. Инициация репликации у прокариот, регуляция инициации. Прерывистый характер синтеза на отстающей цепи и фрагменты Оказаки. Терминация репликации. Эукариотический ориджин. Активация ориджина и предотвращение повторной активации. Эукариотическая реплисома и процессинг фрагментов Оказаки у эукариот. Репликоны и фокусы репликации. Структура теломер и теломеразы.
	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3 УК-1.ИД1 ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2	тема 3. Репликация ДНК Тема 4. Механизмы регуляции	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Эвери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры двойной спирали ДНК. Нуклеозиды и нуклеотиды. Большая и малая бороздки двойной спирали ДНК, взаимодействия с белками. А-, В-, Z-форма ДНК. Неканоническое спаривание оснований и неканонические структуры в ДНК. Плавление и суперспирализация ДНК. Топоизомеразы. Хатимодзи-ДНК и синтетическая геномика. Структура РНК. РНК-связывающие белки. Модификации РНК. Функции РНК в клетке. Три возможных сценария репликации. Эксперимент Мезельсона и Сталя. Структура ДНК-полимераз. Основные ДНК-полимеразы кишечной палочки. Структура РоШІ. Точность и процессивность ДНК-полимераз. Строение прокариотической реплисомы. Инициация репликации у прокариот, регуляция инициации. Прерывистый характер синтеза на отстающей цепи и фрагменты Оказаки. Терминация репликации. Эукариотический ориджин. Активация ориджина и предотвращение повторной активации. Эукариотическая реплисома и процессинг фрагментов Оказаки у эукариот. Репликоны и фокусы репликации. Структура теломер и теломеразы. Сигнальные каскады. Принципы передачи сигнала в
3.	ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3 УК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3	геномам: структура и функции нуклеиновых кислот Тема 3. Репликация ДНК	Мишера. Эксперимент Гриффита. Эксперимент Звери, Маклеода и Маккарти. Эксперимент Херши и Чейз. Правила Чаргаффа и определение структуры двойной спирали ДНК. Нуклеозиды и нуклеотиды. Большая и малая бороздки двойной спирали ДНК, взаимодействия с белками. А-, В-, Z-форма ДНК. Неканоническое спаривание оснований и неканонические структуры в ДНК. Плавление и суперспирализация ДНК. Топоизомеразы. Хатимодзи-ДНК и синтетическая геномика. Структура РНК. РНК-связывающие белки. Модификации РНК. Функции РНК в клетке. Три возможных сценария репликации. Эксперимент Мезельсона и Сталя. Структура ДНК-полимераз. Основные ДНК-полимеразы кишечной палочки. Структура РоПП. Точность и процессивность ДНК-полимераз. Строение прокариотической реплисомы. Инициация репликации у прокариот, регуляция инициации. Прерывистый характер синтеза на отстающей цепи и фрагменты Оказаки. Терминация репликации. Эукариотический ориджин. Активация ориджина и предотвращение повторной активации. Эукариотическая реплисома и процессинг фрагментов Оказаки у эукариот. Репликоны и фокусы репликации. Структура теломер и теломеразы.

			NA DIZ		
	ОПК-1.ИД2	цикл.	рецепторы. МАРК сигнальный каскад. ГТФ-фаза		
	ПК-5.ИД1		семейства ras. Клеточный цикл. Принципы		
			клеточного цикла у прокариот и эукариот. Регуляция		
	ПК-5.ИД2		клеточного цикла у эукариот. Регуляция входа в		
	ПК-5.ИД3		клеточный цикл: Циклин Д и индукция клеточного		
			цикла в клетке. Циклины и циклин-зависимые		
			киназы. Контрольные точки. Белки-ингибиторы		
			циклин-зависимых киназ. Протеолетическая		
			деградация в клеточном цикле. Регуляция входа в		
			репликацию. Регуляция репликации. Регуляция		
			входа в митоз. Митоз. Нарушения клеточного цикла		
			в болезнях, в т.ч. в онкологических нарушениях.		
			Метод исследования клеточного цикла: проточная		
			цитофлуорометрия.		
	VIC 1 IATT1	Тема 5. Репарация ДНК.	Причины повреждений ДНК. Классификация		
	УК-1.ИД1	Томи в томиридии дене.	повреждений ДНК. Стратегии коррекции		
	ОПК-1.ИД1		повреждений. Удаление циклобутановых димеров.		
	ОПК-1.ИД2		Удаление метильной группы из позиции Об гуанина.		
	ПК-5.ИД1		Эксцизия оснований и эксцизия нуклеотидов. ДНК-		
			гликозилазы. Система UvrA/B/C/D кишечной		
5.	ПК-5.ИД2		палочки. Исправление ошибок репликации,		
	ПК-5.ИД3		структура MutS. Обход препятствия в ДНК		
			посредством смены матричных цепей. SOS-		
			репарация. Репарация двунитевых разрывов		
			посредством гомологичной рекомбинации и		
			негомологичного соединения концов ДНК.		
		Тема 6. Генетическая	Биологичного сосдинения концов дтих. Биологическая роль рекомбинации. Модель		
	УК-1.ИД1	рекомбинация	Холидея и понятие кроссинговера. Рекомбинация в		
	ОПК-1.ИД1	рекомоинация	клетках кишечной палочки и RecBCD путь. Роль		
	ОПК-1.ИД2		главного рекомбинационного белка Rec A. Генная		
6.	ПК-5.ИД1		конверсия. Сайт-специфическая рекомбинация.		
0.			Интеграция вирусных геномов. Инверсии в геноме.		
	ПК-5.ИД2		Перемещения мобильных элементов.		
	ПК-5.ИД3		перемещения мооильных элементов.		
	VIC 1 HIII1	Тема 7. Методы выделения,	Методы выделения и очистки нуклеиновых кислот.		
	УК-1.ИД1	очистки и модификации	Экстракция НК с помощью органических		
	ОПК-1.ИД1	нуклеиновых кислот	растворителей. Определение количественных и		
	ОПК-1.ИД2	II y KICHIOBBIX KIICIOI	качественных характеристик нуклеиновых кислот.		
	ОПК-3.ИД1		Измерение концентрации ДНК и РНК. Оценка		
			чистоты препарата нуклеиновых кислот.		
	ОПК-3.ИДЗ		Электрофорез нуклеиновых кислот. Обратная		
	ПК-5.ИД1		транскрипция. Синтез библиотеки кДНК.		
	ПК-5.ИД2		Полимеразная цепная реакция (ПЦР). Общие		
	ПК-5.ИДЗ		сведения о ПЦР. Области применения. Основные		
	1110 5.1145		параметры реакции. Компоненты и условия		
			параметры реакции. Компоненты и условия проведения реакции. Оптимизация условий ПЦР.		
7.			Проведения реакции. Оптимизация условии пцт. Термостабильные ДНК-полимеразы. Ферменты		
			модификации ДНК (рестриктазы, фосфотаза, лигаза,		
			киназа, фрагмент Клёнова). Система рестрикции-		
			модификации у эубактерий. Ее значение для		
			уничтожения чужеродной ДНК. Метилазы и		
			уничтожения чужеродной дпк. Метилазы и рестриктазы типа II – отдельные ферменты.		
			узнавание и разрезание рестриктазами типа II		
			узнавание и разрезание рестриктазами типа п коротких специфических (обычно палиндромных)		
			последовательностей с образованием "липких" или		
			"тупых" концов. Бифункциональные ферменты типа		
			Тупых концов. Бифункциональные ферменты типа III и I; их ассиметричные участки узнавания. Борьба		
			бактериофагов с системами рестрикции хозяина.		
	1	Раздел 3 Основы вогу			
	Раздел 3. Основы регуляции экспрессии генов				

	УК-1.ИД1	Тема 8. Транскрипция у	РНК-полимераза прокариот, ее субъединичная и
	ОПК-1.ИД1	прокариот	трехмерная структуры. Разнообразие сигма-
			факторов. Промотор генов прокариот, его
	ОПК-1.ИД2		структурные элементы: последовательности –10
	ПК-5.ИД1		(Прибнов-бокс) и –35. Стадии транскрипционного
	ПК-5.ИД2		цикла. Инициация, образование "открытого
			комплекса", элонгация и терминация транскрипции.
8.	ПК-5.ИД3		Rho-зависимая и rho-независимая терминация.
			Аттенюация транскрипции. Понятие оперона.
			Регуляция экспрессии триптофанового оперона.
			Лактозный оперон. САР-белок. Регуляция
			транскрипции в развитии фага лямбда. Принципы
			узнавания ДНК регуляторными белками (САР-белок
			и репрессор фага лямбда). "Рибопереключатели".
		Тема 9. Транскрипция у эукариот	РНК-полимеразы I, II и III эукариот. Участие разных
	УК-1.ИД1	тема э. транскрипция у эукариот	полимеразы 1, 11 и 111 эукариот. Участие разных полимераз в транскрипции разных клеточных РНК.
	ОПК-1.ИД1		
	ОПК-1.ИД2		Чувствительность полимераз к а-аманитину.
			Открытая и закрытая конформации РНК-полимеразы
	ПК-5.ИД1		и их роль в стабилизации связи фермента с ДНК-
	ПК-5.ИД2		матрицей. "Модули" промоторов полимеразы II у
	ПК-5.ИД3		эукариот. Базальная транскрипция и общие факторы
			транскрипции. ТВР и ТАГ факторы. Узнавание ДНК
9.			фактором ТВР. Базальные транскрипционные
			факторы TFIIA, THIIB, TFIIF, THIIE.
			Энзиматические активности базального фактора
			ТFIIН. Сборка преинициаторного комплекса на
			промоторе. Особая роль ТАГ в преинициаторном
			комплексе на промоторах, не содержащих ТАТА-
			бокс. Ковалентная модификация факторов
			транскрипции. Фосфорилирование субъединицы
			РНК-полимеразы II и элонгация транскрипции.
10.	УК-1.ИД1	Тема 10. Регуляция экспрессии	Регуляция транскрипции полимеразой II у эукариот.
	ОПК-1.ИД1	генов	Понятие о цис- и транс-регуляции транскрипции.
	7 '		Белки – активаторы транскрипции, их доменные
	ОПК-1.ИД2		структуры. Типы доменов, узнающих регуляторные
	ПК-5.ИД1		цис-действующие элементы. Комбинаторный
	ПК-5.ИД2		принцип в регуляции транскрипции. Коактиваторы и
	1		корепрессоры. Медиатор. Энхансеры и
	ПК-5.ИД3	!	энхансеосома. Принцип "дальнодействия" в
			упланесосома. Принции дальноденствия в
			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность
1			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность
			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность энхансеров. Внешние сигналы (митогенные
			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность энхансеров. Внешние сигналы (митогенные факторы, гормоны), регулирующие транскрипцию
			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность энхансеров. Внешние сигналы (митогенные факторы, гормоны), регулирующие транскрипцию генов. Стадии процесса экспрессии генов,
			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность энхансеров. Внешние сигналы (митогенные факторы, гормоны), регулирующие транскрипцию генов. Стадии процесса экспрессии генов, подверженные регуляции. Механизмы регуляции
			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность энхансеров. Внешние сигналы (митогенные факторы, гормоны), регулирующие транскрипцию генов. Стадии процесса экспрессии генов, подверженные регуляции. Механизмы регуляции экспрессии генов в различных сигнальных каскадах.
			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность энхансеров. Внешние сигналы (митогенные факторы, гормоны), регулирующие транскрипцию генов. Стадии процесса экспрессии генов, подверженные регуляции. Механизмы регуляции экспрессии генов в различных сигнальных каскадах. Дифференциальная активность генов в онтогенезе
			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность энхансеров. Внешние сигналы (митогенные факторы, гормоны), регулирующие транскрипцию генов. Стадии процесса экспрессии генов, подверженные регуляции. Механизмы регуляции экспрессии генов в различных сигнальных каскадах. Дифференциальная активность генов в онтогенезе многоклеточных. Генетические каскады,
			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность энхансеров. Внешние сигналы (митогенные факторы, гормоны), регулирующие транскрипцию генов. Стадии процесса экспрессии генов, подверженные регуляции. Механизмы регуляции экспрессии генов в различных сигнальных каскадах. Дифференциальная активность генов в онтогенезе многоклеточных. Генетические каскады, регулирующие развитие. Гомеодомены
			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность энхансеров. Внешние сигналы (митогенные факторы, гормоны), регулирующие транскрипцию генов. Стадии процесса экспрессии генов, подверженные регуляции. Механизмы регуляции экспрессии генов в различных сигнальных каскадах. Дифференциальная активность генов в онтогенезе многоклеточных. Генетические каскады, регулирующие развитие. Гомеодомены регуляторных белков и явление гомеозиса.
			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность энхансеров. Внешние сигналы (митогенные факторы, гормоны), регулирующие транскрипцию генов. Стадии процесса экспрессии генов, подверженные регуляции. Механизмы регуляции экспрессии генов в различных сигнальных каскадах. Дифференциальная активность генов в онтогенезе многоклеточных. Генетические каскады, регулирующие развитие. Гомеодомены регуляторных белков и явление гомеозиса. Принципы структурной организации и регуляции
			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность энхансеров. Внешние сигналы (митогенные факторы, гормоны), регулирующие транскрипцию генов. Стадии процесса экспрессии генов, подверженные регуляции. Механизмы регуляции экспрессии генов в различных сигнальных каскадах. Дифференциальная активность генов в онтогенезе многоклеточных. Генетические каскады, регулирующие развитие. Гомеодомены регуляторных белков и явление гомеозиса. Принципы структурной организации и регуляции активности генов НОХ-кластеров, определяющих
			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность энхансеров. Внешние сигналы (митогенные факторы, гормоны), регулирующие транскрипцию генов. Стадии процесса экспрессии генов, подверженные регуляции. Механизмы регуляции экспрессии генов в различных сигнальных каскадах. Дифференциальная активность генов в онтогенезе многоклеточных. Генетические каскады, регулирующие развитие. Гомеодомены регуляторных белков и явление гомеозиса. Принципы структурной организации и регуляции активности генов НОХ-кластеров, определяющих план строения тела. Транскрипционные факторы как
			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность энхансеров. Внешние сигналы (митогенные факторы, гормоны), регулирующие транскрипцию генов. Стадии процесса экспрессии генов, подверженные регуляции. Механизмы регуляции экспрессии генов в различных сигнальных каскадах. Дифференциальная активность генов в онтогенезе многоклеточных. Генетические каскады, регулирующие развитие. Гомеодомены регуляторных белков и явление гомеозиса. Принципы структурной организации и регуляции активности генов НОХ-кластеров, определяющих план строения тела. Транскрипционные факторы как морфогены в развитии многоклеточных организмов.
			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность энхансеров. Внешние сигналы (митогенные факторы, гормоны), регулирующие транскрипцию генов. Стадии процесса экспрессии генов, подверженные регуляции. Механизмы регуляции экспрессии генов в различных сигнальных каскадах. Дифференциальная активность генов в онтогенезе многоклеточных. Генетические каскады, регулирующие развитие. Гомеодомены регуляторных белков и явление гомеозиса. Принципы структурной организации и регуляции активности генов НОХ-кластеров, определяющих план строения тела. Транскрипционные факторы как морфогены в развитии многоклеточных организмов. Белки группы поликомб и триторакс. Ядерные
			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность энхансеров. Внешние сигналы (митогенные факторы, гормоны), регулирующие транскрипцию генов. Стадии процесса экспрессии генов, подверженные регуляции. Механизмы регуляции экспрессии генов в различных сигнальных каскадах. Дифференциальная активность генов в онтогенезе многоклеточных. Генетические каскады, регулирующие развитие. Гомеодомены регуляторных белков и явление гомеозиса. Принципы структурной организации и регуляции активности генов НОХ-кластеров, определяющих план строения тела. Транскрипционные факторы как морфогены в развитии многоклеточных организмов. Белки группы поликомб и триторакс. Ядерные рецепторы гормонов. Гистоновый код. Химические
			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность энхансеров. Внешние сигналы (митогенные факторы, гормоны), регулирующие транскрипцию генов. Стадии процесса экспрессии генов, подверженные регуляции. Механизмы регуляции экспрессии генов в различных сигнальных каскадах. Дифференциальная активность генов в онтогенезе многоклеточных. Генетические каскады, регулирующие развитие. Гомеодомены регуляторных белков и явление гомеозиса. Принципы структурной организации и регуляции активности генов НОХ-кластеров, определяющих план строения тела. Транскрипционные факторы как морфогены в развитии многоклеточных организмов. Белки группы поликомб и триторакс. Ядерные рецепторы гормонов. Гистоновый код. Химические модификации гистонов: ацетилирование,
			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность энхансеров. Внешние сигналы (митогенные факторы, гормоны), регулирующие транскрипцию генов. Стадии процесса экспрессии генов, подверженные регуляции. Механизмы регуляции экспрессии генов в различных сигнальных каскадах. Дифференциальная активность генов в онтогенезе многоклеточных. Генетические каскады, регулирующие развитие. Гомеодомены регуляторных белков и явление гомеозиса. Принципы структурной организации и регуляции активности генов НОХ-кластеров, определяющих план строения тела. Транскрипционные факторы как морфогены в развитии многоклеточных организмов. Белки группы поликомб и триторакс. Ядерные рецепторы гормонов. Гистоновый код. Химические модификации гистонов: ацетилирование, фосфорилирование, метилирование,
			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность энхансеров. Внешние сигналы (митогенные факторы, гормоны), регулирующие транскрипцию генов. Стадии процесса экспрессии генов, подверженные регуляции. Механизмы регуляции экспрессии генов в различных сигнальных каскадах. Дифференциальная активность генов в онтогенезе многоклеточных. Генетические каскады, регулирующие развитие. Гомеодомены регуляторных белков и явление гомеозиса. Принципы структурной организации и регуляции активности генов НОХ-кластеров, определяющих план строения тела. Транскрипционные факторы как морфогены в развитии многоклеточных организмов. Белки группы поликомб и триторакс. Ядерные рецепторы гормонов. Гистоновый код. Химические модификации гистонов: ацетилирование, фосфорилирование, метилирование,
			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность энхансеров. Внешние сигналы (митогенные факторы, гормоны), регулирующие транскрипцию генов. Стадии процесса экспрессии генов, подверженные регуляции. Механизмы регуляции экспрессии генов в различных сигнальных каскадах. Дифференциальная активность генов в онтогенезе многоклеточных. Генетические каскады, регулирующие развитие. Гомеодомены регуляторных белков и явление гомеозиса. Принципы структурной организации и регуляции активности генов НОХ-кластеров, определяющих план строения тела. Транскрипционные факторы как морфогены в развитии многоклеточных организмов. Белки группы поликомб и триторакс. Ядерные рецепторы гормонов. Гистоновый код. Химические модификации гистонов: ацетилирование, фосфорилирование, метилирование, убиквитинилирование и АДФ-рибозилирование. Понятие о "гистоновом коде". Активный и
			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность энхансеров. Внешние сигналы (митогенные факторы, гормоны), регулирующие транскрипцию генов. Стадии процесса экспрессии генов, подверженные регуляции. Механизмы регуляции экспрессии генов в различных сигнальных каскадах. Дифференциальная активность генов в онтогенезе многоклеточных. Генетические каскады, регулирующие развитие. Гомеодомены регуляторных белков и явление гомеозиса. Принципы структурной организации и регуляции активности генов НОХ-кластеров, определяющих план строения тела. Транскрипционные факторы как морфогены в развитии многоклеточных организмов. Белки группы поликомб и триторакс. Ядерные рецепторы гормонов. Гистоновый код. Химические модификации гистонов: ацетилирование, фосфорилирование, метилирование, убиквитинилирование и АДФ-рибозилирование. Понятие о "гистоновом коде". Активный и неактивный хроматин. Механизмы репресссии генов,
			регуляции транскрипции. Тканеспецифичность энхансеров. Внешние сигналы (митогенные факторы, гормоны), регулирующие транскрипцию генов. Стадии процесса экспрессии генов, подверженные регуляции. Механизмы регуляции экспрессии генов в различных сигнальных каскадах. Дифференциальная активность генов в онтогенезе многоклеточных. Генетические каскады, регулирующие развитие. Гомеодомены регуляторных белков и явление гомеозиса. Принципы структурной организации и регуляции активности генов НОХ-кластеров, определяющих план строения тела. Транскрипционные факторы как морфогены в развитии многоклеточных организмов. Белки группы поликомб и триторакс. Ядерные рецепторы гормонов. Гистоновый код. Химические модификации гистонов: ацетилирование, фосфорилирование, метилирование, убиквитинилирование и АДФ-рибозилирование. Понятие о "гистоновом коде". Активный и

11.	УК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3	Тема 11. Процессинг первичных транскриптов	осуществляющие мечение гистонов и чтение меток. Ремоделирование хроматина. Роль нуклеосомных структур в активации экспрессии гена. Эухроматин и гетерохроматин. Распространение гетерохроматинизации по хромосоме. Эффекты положения генов. Механизмы инактивации генов при метилировании ДНК. Репликативное метилирование ДНК. "Родительский" геномный импринтинг как эпигенетическая регуляция экспрессии генов. Созревание и транспорт мРНК. Кепирование, сплайсинг и полиаденилирование транскриптов, синтезируемых полимеразой П. Процессинг 3'-конца транскрипта: участие цис-регуляторных последовательностей и транс-факторов в этом процессе; эндонуклеазы процессинга и роlуАполимераза. Альтернативные промоторы и сайты полиаденилирования. Формирование рибонуклеопротеиновых частиц. "Контроль качества" пре-мРНК в ядре. Транспорт мРНК через ядерную мембрану. Открытие интронов. Типы интронов. Механизмы сплайсинга. Роль малых ядерных РНК и белковых факторов. Сплайсосома. Альтернативный сплайсинг, примеры. Энхансеры сплайсинга. Биологическая роль альтернативного сплайсинга, примеры. Механизмы узнавания/обозначения экзонов и интронов. Транссплайсинг, его распространение. "Самосплайсинг". Процессинг тРНК и рРНК у про- и эукариот. Метилирование рибозы и образование псевдоуридина. Роль малых ядрышковых РНК. Интроны групп 1 и 2. Редактирование РНК. Типы редактирования. Биологические функции и механизм РНК-интерференции. Участники процесса. Короткие интерферирующие РНК. RISC. Особенности РНК-интерференции у разных
			организмов. МикроРНК. Процессинг. Механизм действия.
12.	УК-1.ИД1 ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3	Тема 12. Некодирующие РНК	Классификация нкРНК. Длинные нкРНК, их структура и биогенез. Отличия и сходства в процессинге нкРНК и мРНК. нкРНК как структурная основа сборки РНК-белковых комплексов. Роль нкРНК в образовании ядерных телец. Функции нкРНК в установлении и поддержании пространственной организации хроматина. Энхансерные РНК — их биогенез и участие в энхансер-промоторной коммуникации.
13.	УК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3	Тема 13. Генетический код	Генетический код. Гипотезы организации генетического кода (перекрывающийся, неперекрывающийся). Триплетная гипотеза Гамова и ее экспериментальное подтверждение (Крик и Бензер). Экспериментальная расшифровка генетического кода. Эксперименты Ниренберга и Маттеи (гомополимеры), Ниренберга и Ледера (связывание триплетов). Понятие кодона. Свойства генетического кода: триплетность, специфичность, вырожденность или синонимичность, неперекрываемость, отсутствие пробелов, однонаправленность, колинеарность белку. Старт и стоп кодоны. Универсальность генетического кода и исключения из нее. Различия между универсальными, митохондриальными, и

	УК-1.ИД1 ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2	Тема 14. Клонирование кДНК гена в экспрессирующий вектор	неканоническими кодонами, селеноцистеин, пирролизин. Рамка считывания, открытая рамка считывания, сдвиг рамки считывания. Адапторная гипотеза Крика. Транспортные РНК. Изоакцепторные тРНК. Строение тРНК. Понятие антикодона тРНК. Его расположение во вторичной и третичной структуре тРНК. Кодон-антикодоновые взаимодействия: канонические и неканонические (инозин). Гипотеза нестрогого соответствия Крика (wobble). Стереохимия кодон-антикодонового комплементарного комплекса. Минорные нуклеотиды в тРНК. Электрофоретическое разделение фрагментов ДНК. Выделение ДНК из геля на колонках. Лигирование кДНК гена в векторную плазмиду. Различные типы
14.	ОПК-3.ИД1 ОПК-3.ИД3 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3		клонирующих векторов (плазмидные, фаговые, вирусные). Трансформация бактериальных клеток плазмидами. Свойства компетентных клеток и методы их приготовления. Химическая трансформация и электропорация. Методы селекции рекомбинантных клонов: селекция по чувствительности к антибиотику, сине-белый тест, система токсин-антитоксин, дополнение метаболических процессов. Выделение плазмидной
		D 4 M.	ДНК методом щелочного лизиса. Секвенирование ДНК.
	I	-	ии. Структура и биогенез белков
15.	УК-1.ИД1 ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3	Тема 15. Дорибосомный этап биосинтеза белков	Понятие трансляции. Сходства и различия между про- и эукариотами. Химические реакции биосинтеза белков. Типы образующихся связей. Энзимология процесса. Энергетический баланс биосинтеза белков. Дорибосомный этап белкового синтеза. Реакции аминоацилирования тРНК: активирование аминокислот с образованием аминоациладенилатов и перенос аминоацильных остатков на тРНК. Аминоацил-тРНК-синтетазы: специфичность, разнообразие, субъединичная структура.
			Специфичность аминоацилирования тРНК по отношению к аминокислоте и по отношению к тРНК. «Второй генетический код» – уникальная структура тРНК, обеспечивающая ее акцепторные функции. Элементы, определяющие «индивидуальность» отдельных тРНК. Структурная комплементарность тРНК и аминоацил-тРНК-синтетаз.
16.	УК-1.ИД1 ОПК-1.ИД1 ОПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3	Тема 16. Рибосома. Биосинтез белков	Рибосомный этап трансляции. Прокариотический и эукариотический типы рибосом. Три сайта связывания тРНК на рибосоме: А, Р, и Е, их характеристики. Стадии трансляции: инициация, элонгация и терминация. Специальные механизмы контроля точности трансляции. Инициация в бактериях нуждается в субъединицах 30S и факторах инициации (IF-1, IF-2, and IF-3). Структура сайта инициации у бактерий: последовательность Шайн-Дальгарно и AUG. Полицистронные мРНК у бактерий и моноцистронные у эукариот. Формилметионин, IF2 и их функции. Роль 40S субъединицы в инициации транскрипции у эукариот. Факторы элонгации EF-Tu и eEF1a. Кирромицин. Пептидилтрансферазная функция большой

17.	УК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3	Тема 17. Структурная организация белка в клетке.	еубъединицы. Пуромицин. Стадия транслокации, EF-G и еEF2. Стадия терминации (релизингфакторы Іто и 2го классов), их функции. Роль UTR (нетранслируемых последовательностей) в регуляции трансляции. Сопряженность транскрипции и трансляции у бактерий. Полирибосомы. Локализация рибосом в клетке. Свободные и мембраносвязанные рибосомы. Рибосомы митохондрий и хлоропластов. Роль белковых молекул в функционировании живых организмов. Первичная структура белков. Аминокислотыь, входящие в состав белковых цепей. Аминокислоты, входящие в состав белков, их строение. Редкие аминокислоты, входящие в состав белков, их строение. Редкие аминокислоты, входящие в состав белков. Пептидная связь. Полипептидная цепь. Структура и кислотно-основные свойства пептидов. Природные пептиды. Уровни организации белковой молекулы. Первичная структура как уровень организации белка. Доказательство индивидуальности белка. Количественное определение первичной структуры пептидов. Вторичная структура белка. Структурыые особенности пептидной связи, определяющие формирование регулярной вторичной структуры. Стерические ограничения и вторичная структуры. Стерические ограничения и вторичной структуры. Виды регулярной вторичной структуры белках. Соотношение между первичной и вторичной структуры белках. Компактность формы. Наличие гидрофобных ялер и полярной оболочки. Присутствие гидрофобных аминокислот в оболочке, их функциональное значение. Природа сил, стабилизирующих трехмерную структуру белка. Методы исследования пространственной структуры белка. Доменная структуры белка из элементов вторичной структуры белка. Помомерные структуры белка. Пространственной структуры белка. Помомерные оструктуры белка. Трехмерная структуры белка. Трехмерная структуры белка. Трехмерная структуры белка. Трехмерная структуры белка. Помомерные оструктуры белка. Помомерные оструктуры белка. Помомерные оструктуры остроенные острукт
18.	УК-1.ИД1	Тема 18Пострансляционные	значение четвертичной структуры белка. Посттрансляционная модификация белков.
10.	у К-1.ҮІД1	r	12

	ОПК-1.ИД1	модификации белков. Фолдинг	Особенности реакций посттрансляционной
	ОПК-1.ИД2	белков в клетке. Шапероны	модификации. Функциональное значение
	ПК-5.ИД1		посттрансляционной модификации.
			Котрансляционные модификации белка.
	ПК-5.ИД2		Модификации N- и С-концов белков. Модификация
	ПК-5.ИД3		внутренних аминокислотных остатков белков. Гликозилирование белков. N-гликозилирование. О-
			гликозилирование ослков. 14-гликозилирование. О-
			Ограниченный протеолиз. Липопротеины.
			Обратимые посттрансляционные модификации:
			примеры, функциональное значение.
			Пространственное сворачивание или фолдинг
			белков. Денатурация белков. Разрушение нативной
			конформации белков. Ренатурация белка in vitro.
			оль первичной структуры в пространственной
			сборке белка. Опыты Кристиана Анфинсена по
			восстановлению активности рибонуклеазы А. Этапы
			пространственной сборки белка in vitro.
			Интермедиат («расплавленная глобула»). Ферменты,
			облегчающие свертывание полипептидных цепей в компактную структуру (ферменты фолдинга, или
			фолдазы). Пространственное сворачивание белков in
			vivo. Участие молекулярных шаперонов в фолдинге
			белков. Свойства молекулярных шаперонов.
			Представители шаперонов -белки суперсемейства
			белков теплового шока (Hsp). Шапероны,
			взаимодействующие с растущей полипептидной
			цепью: триггерный фактор, комплекс NAC (Nascent
			polypeptide Associated Complex), префолдин. Общие
			свойства белков семейства Hsp70. Свойства белков
			семейства Нѕр60 (Шаперонины). Шапероны
			семейства Нѕр90.Общая схема участия шаперонов в
		Тема 19. Транспорт белков в	фолдинге белков у прокариот и в цитозоле эукариот. Транспорт белков в различные компартменты
	УК-1.ИД1	клетке. Везикулярный транспорт	эукариотической клетки. Методические подходы для
	ОПК-1.ИД1	белков в клетке	изучения транспорта белков в различные
	ОПК-1.ИД2		компартменты клетки. Сигнальная гипотеза
	ПК-5.ИД1		транспорта белков в клетке. Способы
	ПК-5.ИД2		транспортировки белков между компартментами в
	ПК-5.ИДЗ		клетке: трансмембранный, канальный, везикулярный
	ПК-3.ИД3		транспорт. Транспорт белков в эндоплазматический
			ретикулум (ЭР). Транспорт белков в митохондрии и
			хлоропласты. Транспорт белков между ядром и
			цитозолем. Везикулярный транспорт. Секреторный
19.			путь синтеза и сортировки белков. Методы изучения секреторного транспорта. Транспорт белков из ЭР в
			аппарат Гольджи. Везикулярно-тубулярные
			кластеры (VTC). Модели транспорта через аппарат
			Гольджи. Возвращение резидентных белков ЭР.
			Сигналы сортировки, направляющие секретируемые
			и мембранные белки в специфические транспортные
			везикулы. Транспорт гидролаз в лизосомы.
			Распознавание лизосомных гидролаз и
			формирование транспортного сигнала. Пути
			секреции в клетках. Пути сортировки мембранных
			белков в поляризованных клетках. Молекулярные механизмы везикулярного транспорта.
20	N/IC 1 II II I	Тема 20. Контроль качества	Система контроля качества белков в клетке. Система
20.	УК-1.ИД1	белков в клетке. Механизмы	контроля качества белка в <i>E.Coli</i> . Контроль качества
	ОПК-1.ИД1	деградации белков в клетке	белка в эндоплазматическом ретикулуме. Роль
	ОПК-1.ИД2		шаперонов в контроле качества белков. Ответ клетки
	ПК-5.ИД1		на увеличение количества неправильно собранных
	<u> </u>	1	

	ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3		белков. Реакция неправильно собранных белков (UPR). Значение протеолитической деградации белков в жизни клетки. Внеклеточные и внутриклеточные механизмы деградации белков. Механизмы деградации белков. Убиквитинзависимая система протеолиза белков. Специальные сигналы, распознаваемые различными ферментами убиквитин-конъюгирующего комплекса. Ферменты убиквидин-конъюгирующего комплекса. Протеасомы. Структура 26S-протеасомы. Болезни, вызываемые неправильно собранными белками.
21.	УК-1.ИД1 ОПК-1.ИД1 ОПК-1.ИД2 ОПК-3.ИД1 ОПК-3.ИД3 ПК-5.ИД1 ПК-5.ИД2 ПК-5.ИД3	Тема 21. Экспрессия белка в культуре бактериальных клеток	Рекомбинантные белки. Распространение в природе. Методы получения рекомбинантных белков. Применение рекомбинантных белков. Экспрессирующие векторы и экспрессионные штаммы. Индукция экспрессии белка с помощью ИПТГ. Методы тестирования структуры и уровня экспрессии гена. Метод RT-PCR. Гибридизация по Саузерну. Нозерн-гибридизация. Вестерн блоттинг. Принципы электрофоретического разделения белков. Виды белкового электрофореза. Электрофорез белков в ПААГ. Окрашивание гелей Кумасси. Методы очистки белков. Методы анализа структуры белков. Методы изучения межбелковых взаимодействий.

3.2. Перечень разделов (модулей), тем дисциплины для самостоятельного изучения обучающимися (при наличии): не предусмотрен.

4. Тематический план дисциплины

4.1. Тематический план контактной работы обучающихся с преподавателем

№ п/п	бных рорма очной	Период обучения (семестр). Порядковые номера и наименование	часов работы	текущего пя успев.**		конт	роля	успен	ваемо	кущего сти и ции ***
	Виды учебных занятий/ форма промежуточной	разделов (модулей) (при наличии). Порядковые номера и наименование тем (модулей) модулей. Темы учебных занятий.	Количество контактной	Виды тек контроля у	К П	Оу	О П	O K	Л Р	ПР
1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11
			8 семестр							
		Раздел 1. Введение в предмет. Задачи и основные этапы развития молекулярной биологии и генетики. Современное состояние науки								
		Тема 1. История развития генетики и молекулярной биологии. Основные законы генетики. Взаимосвязь генетики и молекулярной биологии	_							
1	ЛЗ	История развития генетики и молекулярной биологии. Основные законы генетики. Взаимосвязь	2	Д	+					

		генетики и молекулярной биологии							
		Раздел 2. Структура, свойства и							
		функции нуклеиновых кислот							
		Тема 2. От нуклеотидов к геномам:							
		структура и функции нуклеиновых							
		кислот							
		От нуклеотидов к геномам:							
2	ЛЗ	структура и функции нуклеиновых	2	Д	+				
		кислот							
		Тема 3. Репликация ДНК							
3	ЛЗ	Репликация ДНК	2	Д	+				
		Тема 4. Механизмы регуляции							
		поведения клеток. Клеточный цикл							
4	ЛЗ	Механизмы регуляции поведения	2	Д	+				
-	715	клеток. Клеточный цикл			<u> </u>				
		Тема 5. Репарация ДНК							
5	ЛЗ	Репарация ДНК	2	Д	+				
		Тема 6. Генетическая рекомбинация		 					
6	ЛЗ	Генетическая рекомбинация	2	Д	+				
		Тема 7. Методы выделения, очистки							
		и модификации нуклеиновых кислот		1					
7	ПЗ	Принципы молекулярного	4	Д	+				
		клонирования		' '		-	-		
8	ЛП3	Выделение тотальной РНК из	4	ДТ	+			+	
		культуры клеток		-					
9	лпз	Синтез библиотеки кДНК.	4	ДТ	+			+	
9	71113	Получение кДНК целевого гена при помощи ПЦР		7 Д1	-				
		Электрофоретическое разделение							
10	ЛП3	фрагментов ДНК	4	ДТ	+			+	
		Рестрикция ДНК. Обработка ДНК		777					
11	ЛП3	модифицирующими ферментами	4	ДТ	+			+	
10	TC	Текущий рубежный (модульный)	4	пр	١.				
12	К	контроль по разделам 1–2	4	ДР	+	+	+		
		Раздел 3. Основы регуляции							
		экспрессии генов							
		Тема 8. Транскрипция у прокариот							
13	ЛЗ	Транскрипция у прокариот	2	Д	+				
		Тема 9. Транскрипция у эукариот							
14	ЛЗ	Транскрипция у эукариот	2	Д	+				
		Тема 10. Процессинг первичных							
		транскриптов							
15	ЛЗ	Процессинг первичных транскриптов	2	Д	+				
		Тема11. Регуляция экспрессии генов		, ,					
1.5				-		-			
16	ЛЗ	Регуляция экспрессии генов	2	Д	+				
		Тема 12. Некодирующие РНК							
17	ЛЗ	Некодирующие РНК	2	Д	+				
		Тема 13. Генетический код							
18	ЛЗ	Генетический код	2	Д	+				
		Тема 14. Клонирование кДНК гена в							
		экспрессирующий вектор							
		D 1		1					
19	ЛП3	Выделение фрагментов ДНК из	4	ДТ	+			+	
L		агарозного геля на колонках.		1					

		Лигирование ДНК							
		Трансформация бактериальных						+	
20	ЛП3	клеток плазмидами	4 ДТ		+				
		Отбор клонов, содержащих вектор с		†				+	
21	ЛП3	целевым геном с помощью ПЦР	4	ДТ	+				
		Выделение плазмидной ДНК						+	
22	ЛП3	методом щелочного лизиса	4	ДТ	+				
		Методы анализа ДНК и РНК.						+	
23	ЛП3	Рестрикционный анализ плазмидной	4	ДТ	+				
		ДНК.							
2.4	TC	Текущий рубежный (модульный)		TD					
24	K	контроль по разделу 3	4	ДР	+	+	+		
		Раздел 4. Механизмы трансляции.							
		Структура и биогенез белков							
		Тема 13. Дорибосомный этап							
		биосинтеза белков							
25	ЛЗ	Дорибосомный этап биосинтеза	2	п	+				
	113	белков	<u> </u>	Д					
		Тема 14. Рибосома. Биосинтез белков							
26	ЛЗ	Рибосома. Биосинтез белков	2	Д	+				
		Тема 15. Структурная организация							
		белка в клетке. Фолдинг белков в							
		клетке. Шапероны							
		Структурная организация белка в							
27	ЛЗ	клетке. Фолдинг белков в клетке.	2	Д	+				
		Шапероны							
		Тема 16. Пострансляционные							
		модификации белков		-					
28	ЛЗ	Пострансляционные модификации	2	Д	+				
		белков		+ ' '					
		Тема 17. Транспорт белков в клетке.							
		Везикулярный транспорт белков в							
		клетке Транспорт белков в клетке.							
29	ЛЗ	Везикулярный транспорт белков в клетке	2	Д	+				
29	713	RJICIRC	2	4	'				
		Тема 18. Контроль качества белков в							
		клетке. Механизмы деградации							
		белков в клетке							
		Контроль качества белков в клетке.							
30	ЛЗ	Механизмы деградации белков в	2	Д	+				
		клетке							
		Тема 21. Экспрессия белка в							
		культуре бактериальных клеток							
2.1	по	Экспрессирующие векторы и		178					
31	ПЗ	экспрессионные штаммы	4	Д	+				
22	ппо	Индукция экспрессии белков с	4	TECES					
32	ЛП3	помощью ИПТГ	4	ДТ	+			+	
		Электрофоретическое разделение							
33	ЛП3	белков в ПААГ	4 ДТ +						
		Методы очистки белков. Методы							
34	ПЗ	изучения межбелковых	4	Д	+				
		взаимодействий							
		-		-	•			 	

35	К	Текущий рубежный (модульный) контроль по разделу 4	4	ДР	+	+	+		
36	ИЗ	Текущий итоговый контроль по разделам 1–4	4	ди	+			+	
		Всего часов за семестр:	108						
	Э	Промежуточная аттестация	9			+			+
		Всего часов по дисциплине:	117						·

Условные обозначения:

Виды учебных занятий и формы промежуточной аттестации *

Виды учебных занятий,	Сокращённое наименование				
формы промежуточной аттестации					
Лекционное занятие	Лекция	Л3			
Семинарское занятие	Семинар	C3			
Практическое занятие	Практическое	П3			
Практикум	Практикум	П			
Поболожения	Лабораторно-	ЛПЗ			
Лабораторно-практическое занятие	практическое				
Лабораторная работа	Лабораторная работа	ЛР			
Клинико-практические занятие	Клинико- практическое	КПЗ			
Специализированное занятие	Специализированное	C3			
Комбинированное занятие	Комбинированное	К3			
Коллоквиум	Коллоквиум	К			
Контрольная работа	Контр. работа	КР			
Итоговое занятие	Итоговое	ИЗ			
Групповая консультация	Групп. консультация	КС			
Конференция	Конференция	Конф.			
Защита курсовой работы	Защита курсовой работы	ЗКР			
Экзамен	Экзамен	Э			

Виды текущего контроля успеваемости (ВТК)**

Виды текущего контроля успеваемости (ВТК)**	Сокращённое наименование		Содержание
Текущий дисциплинирующий контроль	Дисциплинирующий	Д	Контроль посещаемости занятий обучающимся
Текущий тематический контроль	Тематический	Т	Оценка усвоения обучающимся знаний, умений и опыта практической деятельности на занятиях по теме.
Текущий рубежный (модульный) контроль	Рубежный	P	Оценка усвоения обучающимся знаний, умений и опыта практической деятельности по теме (разделу, модулю) дисциплины
Текущий итоговый контроль	Итоговый	И	Оценка усвоения обучающимся знаний, умений и опыта практической деятельности по темам (разделам, модулям) дисциплины

Формы проведения текущего контроля успеваемости и промежуточной аттестации обучающихся /виды работы обучающихся/ ***

№	Формы проведения текущего контроля успеваемости и промежуточной аттестации обучающихся (ФТКУ) ***	Техническое и сокращённое наименование		Виды работы обучающихся (ВРО) ***	Типы контроля
1	Контроль присутствия (КП)	Присутствие	КП	Присутствие	Присутствие
2	Учет активности (А)	Активность	A	Работа на занятии по теме	Участие
3	Опрос устный (ОУ)	Опрос устный	ОУ	Выполнение задания в устной форме	Выполнение обязательно
4	Опрос письменный (ОП)	Опрос письменный	ОП	Выполнение задания в письменной форме	Выполнение обязательно
5	Опрос комбинированный (ОК)	Опрос комбинированный	ОК	Выполнение заданий в устной и письменной форме	Выполнение обязательно
6	Тестирование в электронной форме (ТЭ)	Тестирование	ТЭ	Выполнение тестового задания в электронной форме	Выполнение обязательно
7	Проверка реферата (ПР)	Реферат	ПР	Написание (защита) реферата	Выполнение обязательно
8	Проверка лабораторной работы (ЛР)	Лабораторная работа	ЛР	Выполнение (защита) лабораторной работы	Выполнение обязательно
9	Подготовка учебной истории болезни (ИБ)	История болезни	ИБ	Написание (защита) учебной истории болезни	Выполнение обязательно
10	Решение практической (ситуационной) задачи (РЗ)	Практическая задача	Р3	Решение практической (ситуационной) задачи	Выполнение обязательно
11	Подготовка курсовой работы (ПКР)	Курсовая работа	ПКР	Выполнение (защита) курсовой работы	Выполнение обязательно
12	Клинико-практическая работа (КПР)	Клинико- практическая работа	КПР	Выполнение клинико- практической работы	Выполнение обязательно
13	Проверка конспекта (ПК)	Конспект	ПК	Подготовка конспекта	Выполнение обязательно
14	Проверка контрольных нормативов (ПКН)	Проверка нормативов	ПКН	Сдача контрольных нормативов	Выполнение обязательно
15	Проверка отчета (ПО)	Отчет	ПО	Подготовка отчета	Выполнение обязательно
16	Контроль выполнения домашнего задания (ДЗ)	Контроль самостоятельной работы	ДЗ	Выполнение домашнего задания	Выполнение обязательно, Участие
17	Контроль изучения электронных образовательных ресурсов (ИЭОР)	Контроль ИЭОР	ИЭОР	Изучения электронных образовательных ресурсов	Изучение ЭОР

5. Фонд оценочных средств для проведения текущего контроля успеваемости обучающихся по дисциплине

5.1. Планируемые результаты обучения по темам и разделам дисциплины

Планируемые результаты обучения по темам и разделам дисциплины, соотнесенные с планируемыми результатами освоения дисциплины – согласно п. 1.3. и содержанием дисциплины – согласно п.3. настоящей рабочей программы дисциплины.

5.2. Формы проведения текущего контроля успеваемости

Текущий контроль успеваемости обучающегося в семестре осуществляется в формах, предусмотренных тематическим планом настоящей рабочей программы дисциплины (см. п. 4.1).

5.3. Критерии, показатели и оценочные средства текущего контроля успеваемости обучающихся

5.3.1. Условные обозначения:

Типы контроля (ТК)*

Типы контроля	Тип оценки	
Присутствие	П	наличие события
Участие (дополнительный контроль)	У	дифференцированный
Изучение электронных образовательных ресурсов (ЭОР)	И	наличие события
Выполнение (обязательный контроль)	В	дифференцированный

Виды текущего контроля успеваемости (ВТК)**

Виды текущего контроля успеваемости (ВТК)**	Сокращённое наимено	вание	Содержание
Текущий дисциплинирующий контроль	Дисциплинирующий	Д	Контроль посещаемости занятий обучающимся
Текущий тематический контроль	Тематический	Т	Оценка усвоения обучающимся знаний, умений и опыта практической деятельности на занятиях по теме.
Текущий рубежный (модульный) контроль	Рубежный	P	Оценка усвоения обучающимся знаний, умений и опыта практической деятельности по теме (разделу, модулю) дисциплины
Текущий итоговый контроль	Итоговый	И	Оценка усвоения обучающимся знаний, умений и опыта практической деятельности по темам (разделам, модулям) дисциплины

5.3.2. Структура текущего контроля успеваемости по дисциплине

8 семестр

Виды занятий	Формы текуще контроля успеваем		тк	ВК	Max	Min	Шаг	
Лекционное занятие	ЛЗ	Контроль присутствия	КП	П	Д	1	0	0
Практическое занятие	ПЗ	Контроль присутствия	КП	П	Д	1	0	0
Лабораторно-		Контроль присутствия	КП	П	Д	1	0	0
практическое занятие	ЛПЗ	Выполнение лабораторной работы	ЛР	В	Т	10	0	1
Коллоквиум (рубежный		Контроль присутствия	КП	П	Д	1	0	0 0
(модульный) контроль)	К	Опрос устный	ОУ	В	P	10	0	1
		Опрос письменный	ОП	В	Р	10	0	1
Итоговое занятие	ИЗ	Контроль присутствия	КП	П	Д	1	0	0
(итоговый контроль)		Опрос комбинированный	ОК	В	И	10	0	1

5.3.3. Весовые коэффициенты текущего контроля успеваемости обучающихся (по видам контроля и видам работы)

8 семестр

	п	Исход	цно				Исходно		10 1
Вид контроля	Пла н %	Балл ы	%	ФТКУ / Вид работы	K K	Пла н %	Балл ы	%	Коэф •
Текущий дисциплинирующи й контроль	5	36	16, 6	Контроль присутствия	П	5	36	16, 6	0.14
Текущий тематический контроль	35	110	51	Выполнение лабораторной работы	В	35	110	51	0.32
Текущий рубежный	40	60	27,	Опрос устный	В	20	30	13, 9	0.67
(модульный) контроль	40	00	8	Опрос письменный	В	20	30	13, 9	0.67
Текущий итоговый контроль	20	10	4,6	Опрос комбинированный	В	20	10	4,6	2
Мах кол. баллов	100	216		·			·		

5.4. Методические указания по порядку проведения текущего контроля успеваемости обучающихся по дисциплине по формам текущего контроля, предусмотренным настоящей рабочей программой дисциплины

Методические указания по порядку проведения текущего контроля успеваемости обучающихся по дисциплине по формам текущего контроля, предусмотренным настоящей рабочей программой дисциплины (см. п. 5.3.2) подготавливаются кафедрой и объявляются преподавателем накануне проведения текущего контроля успеваемости.

6. Организация промежуточной аттестации обучающихся

8 семестр.

- 1) Форма промежуточной аттестации согласно учебному плану экзамен.
- 2) Форма организации промежуточной аттестации: устный опрос по билету, проверка реферата.
- 3) Перечень тем, вопросов, практических заданий для подготовки к промежуточной аттестации.

Перечень тем и вопросов для подготовки к промежуточной аттестации:

- 1. Открытие основных законов генетики: Мендель, его предшественники и последователи. Развитие Менделизма. Теория мутаций, наследственная и модификационная изменчивость. Основные типы взаимодействия генов. Закон Харди-Вайнберга.
- 2. Хромосомная теория наследственности. Сцепленное с полом наследование, группа сцепления, кроссинговер, линейное расположение генов, интерференция, генетические карты, политенные хромосомы. Пенетрантность и экспрессивность. Хромосомные перестройки.
- 3. «Центральная догма» молекулярной биологии. Реализация «центральной догмы» при биосинтезе белков у про- и эукариот. Первичная структура нуклеиновых кислот.
- 4. Вторичная структура ДНК. Формы ДНК.
- 5. Характеристика систем рестрикции-модификации. Применение этих систем в молекулярной биологии.
- 6. Топологические проблемы двунитевых молекул ДНК. Сверхспирализация ДНК; ее роль в формировании особых структур ДНК. Топоизомеразы.
- 7. Макромолекулярная структура РНК. Вторичная и третичная структура тРНК.
- 8. Типы РНК. Их участие в биосинтезе белков, в подавлении экспрессии генов и модификации других РНК.
- 9. Основные принципы репликации ДНК.
- 10. Репликоны про- и эукариот. Точки начала репликации (ориджины репликации). Согласованность репликации и клеточного деления у эукариот.
- 11. Общие свойства ДНК-полимераз.
- 12. Репликация: основные этапы и участвующие молекулы.
- 13. ДНК-полимеразы *E. coli*. Субъединичный состав и роль отдельных субъединиц ДНК-полимеразы III.
- 14. Ассиметричный синтез ДНК. Согласованная репликация двух родительских цепей ДНК в репликативной вилке.
- 15. Эукариотические ДНК-полимеразы.
- 16. Репликация концов эукариотических хромосом. Теломераза.
- 17. Двунаправленный рост двух дочерних цепей ДНК от одной точки огі при репликации. Исключения из этого правила.
- 18. Сигнальные каскады. Принципы передачи сигнала в клетке.
- 19. Клеточный цикл. Принципы клеточного цикла у прокариот и эукариот.

- 20. Регуляция клеточного цикла у эукариот. Нарушения клеточного цикла в болезнях.
- 21. Регуляция входа в репликацию. Регуляция репликации. Регуляция входа в митоз. Митоз.
- 22. Причины повреждений ДНК. Классификация повреждений ДНК. Стратегии коррекции повреждений.
- 23. Эксцизионная репарация. Генная конверсия.
- 24. Индуцируемая репарация.
- 25. Репарация неспаренных (обычных) нуклеотидов. Репарация дочерней нити, зависящая от метилирования.
- 26. Репарация повреждений двух цепей ДНК.
- 27. Гомологичная рекомбинация. Мейотическая и митотическая рекомбинация. Эктопическая рекомбинация. Специализированные системы гомологичной рекомбинации.
- 28. Модель Холлидея.
- 29. Белок RecA *E.coli* и его роль в гомологичной рекомбинации. Рекомбинация у *E.coli* in vivo. Гомологичные ферменты рекомбинации у различных организмов.
- 30. RecBCD основной путь гомологичной рекомбинации у *E.coli*.
- 31. Сайт-специфическая рекомбинация. Ферменты, осуществляющие сайт-специфическую рекомбинацию: интегразы и инвертазы.
- 32. Интеграция вирусных геномов. Инверсии в геноме. Перемещения мобильных элементов.
- 33. РНК-полимеразы бактерий и эукариот.
- 34. Инициация транскрипции РНК-полимеразой II эукариот на базальном промоторе.
- 35. Транскрипционный цикл.
- 36. Промоторы про- и эукариот.
- 37. Регуляция экспрессии оперонов прокариот. Активаторы и репрессоры транскрипции
- 38. Схема регуляции лактозного оперона.
- 39. Аттенуация транскрипции. Rho-зависимая и rho-независимая терминация.
- 40. Регуляция транскрипции полимеразой II у эукариот. Понятие о цис- и трансрегуляции транскрипции. Коактиваторы и корепрессоры. Медиатор. Энхансеры.
- 41. Гистоновый код. Активный и неактивный хроматин. Роль нуклеосомных структур в активации экспрессии гена
- 42. Механизмы посттранскрипционного контроля: РНК-переключатели (riboswitches).
- 43. РНК-редактирование, РНК-интерференция (RNAi).
- 44. Процессинг 5'- и 3' концов мРНК у эукариот.
- 45. Формирование рибонуклеопротеиновых частиц. "Контроль качества" пре-мРНК в ядре. Транспорт мРНК через ядерную мембрану.
- 46. Процессинг мРНК у эукариот: сплайсинг экзонов. Альтернативный сплайсинг и транс-сплайсинг. Малые ядерные РНП эукариот и их роль в сплайсинге.
- 47. Классификация нк РНК, их структура и биогенез. Отличия и сходства в процессинге нкРНК и мРНК.
- 48. Роль нкРНК в образовании ядерных телец, регуляции транскрипции и организации пространственной структуры хроматина.
- 49. Генетический код.
- 50. тРНК адаптор белкового синтеза. Гипотеза нестрогого соответствия Ф.Крика
- 51. Дорибосомный этап белкового синтеза. Аминоацил-тРНК-синтетазы: специфичность, разнообразие, субъединичная структура.
- 52. Строение и функции рибосомы. Рибозимы.

- 53. Сопряженность транскрипции и трансляции у бактерий. Полирибосомы. Локализация рибосом в клетке. Свободные и мембраносвязанные рибосомы. Рибосомы митохондрий и хлоропластов.
- 54. Элементарный элонгационный цикл рибосомы. Взаимная подвижность рибосомных субчастиц при элонгации.
- 55. Инициация и терминация трансляции. Инициаторы трансляции и способ распознавания первого кодона мРНК у прокариот и эукариот. Роль UTR в регуляции трансляции.
- 56. Структура белков.
- 57. Определение первичной структуры пептидов. Методы исследования вторичной, третичной и четвертичной структуры белка.
- 58. Посттрансляционные и котрансляционные модификации белков.
- 59. Пространственная сборка белков. Роль первичной структуры. Ферменты фолдинга.
- 60. Участие молекулярных шаперонов в сборке белков. Общая характеристика, функциональное значение.
- 61. Шапероны, взаимодействующие с растущей полипептидной цепью.
- 62. Роль шаперонов семейств HSP70, HSP60 и HSP90 в фолдинге белков. Отличия этих семейств друг от друга.
- 63. Транспорт и сортировка белков в клетке (общая схема).
- 64. Сигнальная гипотеза транспорта белков в клетке.
- 65. Секреторный путь синтеза и сортировки белков.
- 66. Система контроля качества белков в клетке.
- 67. Значение протеолитической деградации белков в жизни клетки. Внеклеточные и внутриклеточные механизмы деградации белков. Протеасомы. Болезни, вызываемые неправильно собранными белками.
- 68. Убиквитин-зависимая система протеолиза белков в клетке.

7. Фонд оценочных средств для проведения промежуточной аттестации обучающихся по дисциплине

- 7.1. Планируемые результаты обучения по дисциплине, соотнесенные с планируемыми результатами освоения образовательной программы (по периодам освоения образовательной программы) согласно п. 1.3. настоящей рабочей программы дисциплины.
- 7.2. Критерии, показатели и порядок промежуточной аттестации обучающихся с использованием балльно-рейтинговой системы. Порядок перевода рейтинговой оценки обучающегося в традиционную систему оценок.

8 семестр

Порядок промежуточной аттестации обучающегося по дисциплине в форме экзамена:

Промежуточная аттестация по дисциплине в форме экзамена организуется в период экзаменационной сессии согласно расписанию экзаменов, на основании результатов текущего контроля успеваемости обучающегося в семестрах, в которых преподавалась дисциплина и результатов экзаменационного испытания.

Порядок допуска обучающихся к промежуточной аттестации в форме экзамена, критерии, показатели и порядок балльно-рейтинговой системы промежуточной

аттестации обучающихся по дисциплине в форме экзамена, а также порядок перевода рейтинговой оценки обучающегося в традиционную систему оценок устанавливается Положением о балльно-рейтинговой системе текущего контроля успеваемости и промежуточной аттестации обучающихся по программам высшего образования — программам бакалавриата, программам специалитета, программам магистратуры в федеральном государственном автономном образовательном учреждении высшего образования «Российский национальный исследовательский медицинский университет имени Н.И. Пирогова» Министерства здравоохранения Российской Федерации с изменениями и дополнениями (при наличии).

Условные обозначения:

Типы контроля (ТК)**

Типы контроля	Тип оценки	
Присутствие	П	наличие события
Выполнение (обязательный контроль)	В	дифференцированный

Структура итогового рейтинга по дисциплине

Дисциплина Основы молекулярной био					
Специальность	30.05.01 «Медицинская биохимия»				
Семестры	8				
Трудоемкость семестров в часах (Тдсі)	180				
Трудоемкость дисциплины в часах за весь период ее изучения (Тд)	180				
Весовые коэффициенты семестровой рейтинговой оценки с учетом трудоемкости (Кросі)	1				
Коэффициент экзаменационного семестрового рейтинга за все семестры изучения дисциплины		0.7			
Экзаменационный коэффициент (Кэ)		0.3			

Структура промежуточной аттестации в форме экзамена

Форма промежуточной аттестации	Формы текуще контроля успеваемости/ви работы *		ТК**	Max.	Весовой коэффициент, %	Коэффициент одного балла в структуре экзаменационно й рейтинговой оценки	Коэффициент одного балла в структуре итогового рейтинга по дисциплине
	Контроль присутствия	КП	КП	0	0		
Экзамен (Э)	Опрос устный	ОУ	В	20	80	4	1.2

7.3. Типовые контрольные задания или иные материалы, необходимые для проведения промежуточной аттестации

Типовой экзаменационный билет для проведения экзамена по дисциплине «Основы молекулярной биологии» по специальности 30.05.03 «Мелицинская биохимия»

Федеральное государственное автономное образовательное учреждение высшего образования «Российский национальный исследовательский медицинский университет имени Н.И. Пирогова» Министерства здравоохранения Российской Федерации (ФГАОУ ВО РНИМУ им. Н.И. Пирогова Минздрава России) Кафедра молекулярной биологии и медицинской биотехнологии МБФ
Экзаменационный билет № 1

для проведения экзамена по дисциплине «Основы молекулярной биологии» по специальности 30.05.01 «Медицинская биохимия»

- 1. Открытие основных законов генетики: Мендель, его предшественники и последователи. Развитие Менделизма. Теория мутаций, наследственная и модификационная изменчивость. Основные типы взаимодействия генов. Закон Харди-Вайнберга.
- 2. Инициация транскрипции РНК-полимеразой II эукариот на базальном промоторе.

Заведующий кафедрой		Прохорчук Е.Б.
---------------------	--	----------------

8. Методические указания обучающимся по освоению дисциплины

Освоение обучающимися учебной дисциплины «Основы молекулярной биологии» складывается из контактной работы, включающей занятия лекционного типа (лекции), занятия семинарского типа (практические занятия, коллоквиумы) и лабораторнопрактические занятия, а также самостоятельной работы. Контактная работа с обучающимися предполагает проведение текущего контроля успеваемости и промежуточной аттестации.

Для подготовки к занятиям лекционного типа (лекциям) обучающийся должен:

- внимательно прочитать материал предыдущей лекции;
- ознакомиться с учебным материалом по учебнику, учебным пособиям, а также электронным образовательным ресурсам с темой прочитанной лекции;
- внести дополнения к полученным ранее знаниям по теме лекции на полях лекционной тетради;

- записать возможные вопросы, которые следует задать преподавателю по материалу изученной лекции.

Для подготовки к лабораторно- практическим занятиям обучающийся должен:

- внимательно изучить теоретический материал по конспекту лекции, учебникам, учебным пособиям, а также электронным образовательным ресурсам;
 - тщательно изучить и законспектировать методики проведения экспериментов;
- -проработать тестовые задания и ситуационные задачи, которые были рекомендованы для самостоятельного решения.

Для подготовки к занятиям семинарского типа обучающийся должен:

- внимательно изучить теоретический материал по конспекту лекции, учебникам, учебным пособиям, а также электронным образовательным ресурсам;
- подготовиться к выступлению на заданную тему, если данное задание предусмотрено по дисциплине;
- выполнить письменную работу, если данное задание предусмотрено по дисциплине;
- подготовить доклад, презентацию или реферат, если данное задание предусмотрено по дисциплине.

Самостоятельная работа обучающихся является составной частью обучения и имеет целью закрепление и углубление полученных знаний, умений и навыков, поиск и приобретение новых знаний, выполнение учебных заданий, подготовку к предстоящим занятиям, текущему контролю успеваемости и промежуточной аттестации.

Выполнение домашних заданий осуществляется в форме:

- работы с учебной, учебно-методической литературой по теме (рекомендованные учебники, методические пособия, ознакомление с материалами, опубликованными на рекомендованных медицинских сайтах), электронными образовательными ресурсами (дополнительные иллюстративно-информационные материалы, представленные на сайте кафедры), с конспектами обучающегося: чтение, изучение, анализ, сбор и обобщение информации, её конспектирование;
 - решения ситуационных задач;
 - решения тестовых заданий;
 - подготовки реферата.

Текущий контроль включает в себя текущий тематический контроль, текущий рубежный (модульный) контроль и текущий итоговый контроль.

Текущий рубежный (модульный) контроль успеваемости обучающихся по дисциплине *«Основы молекулярной биологии»* осуществляется в ходе проведения отдельного вида занятия— коллоквиума.

Для подготовки к текущему тематическому контролю обучающемуся следует изучить учебный материал по теме занятия или отдельным значимым учебным вопросам, по которым будет осуществляться опрос; освоить методики экспериментов, выполнявшихся на занятии.

Для подготовки к текущему рубежному (модульному) и текущему итоговому контролям обучающемуся следует изучить учебный материал по наиболее значимым темам и (или) разделам дисциплины в семестре; освоить практические навыки

молекулярного клонирования (выделение и очистка плазмидной ДНК, электрофорез нуклеиновых кислот, обработка ДНК различными ферментами модификации и рестрикции, постановка полимеразной цепной реакции, трансформация бактериальных клеток плазмидами, селекция рекомбинантных клонов, индукция экспрессии белка, электрофорез белков, окрашивание белков Кумасси), планирования и анализа молекулярно-биологических экспериментов; проработать ситуационные задачи, которые разбирались на занятиях или были рекомендованы для самостоятельного решения.

Промежуточная аттестация обучающихся в форме экзамена по дисциплине *Основы молекулярной биологии»* организуется в период экзаменационной сессии согласно расписанию экзаменов.

Экзамен организуется в один этап – в форме собеседования по билету и проверки реферата. Билет включает в себя два теоретических вопроса.

При подготовке к собеседованию по билетам следует:

- ознакомиться со списком вопросов и практических заданий, выносимых на промежуточную аттестацию в форме экзамена;
 - проанализировать материал и наметить последовательность его повторения;
 - определить наиболее простые и сложные темы и (или) разделы дисциплины;
- повторить материал по наиболее значимым/сложным темам и (или) разделам дисциплины по конспектам лекций и учебной литературе, а также электронным образовательным ресурсам;
 - повторить схемы, таблицы, изученные в процессе освоения дисциплины;
 - подготовить реферат на выбранную тему.

При подготовке итогового реферата по предложенной преподавателем теме следует руководствоваться следующими требованиями:

- Требования к оформлению титульного листа: вверху страницы по центру указывается название учебного заведения (ФГАОУ ВО РНИМУ им. Н.И. Пирогова Минздрава России), ниже по центру название кафедры (Кафедра молекулярной биологии и медицинской биотехнологии). В середине страницы по центру заглавными буквами пишется название реферата (темы реферата выбирается из предложенного преподавателем списка). Ниже названия справа пишется фамилия и инициалы исполнителя с указанием факультета и номера группы, ниже фамилия и инициалы преподавателя. Внизу страницы по центру город и год написания.
- -Требования к содержанию реферата: реферат включает введение, основную часть и заключительную часть. Во введении приводится краткое обоснование актуальности темы, научное и практическое значение для соответствующей отрасли. Основная часть реферата содержит материал, который отобран студентом для рассмотрения проблемы. В общем смысле основным в реферате должно быть раскрытие темы, достижение того результата, который задан целью. В заключении автор формулирует выводы по разделам реферата или подводит итог по работе в целом.
- *Требования к наглядным материалам:* наглядными материалами могут служить рисунки, фотографии, графики, диаграммы, таблицы и т.д. Все вышеперечисленное должно иметь сквозную нумерацию и обязательные ссылки в тексте.
- *Требования к списку используемой литературы*: при подготовке реферата основные использованные литературные источники должны быть не ранее 2000-го года,

Источники должны быть перечислены в алфавитной последовательности (по авторам). Список должен включать не менее 5 источников.

9. Учебно-методическое, информационное и материально-техническое обеспечение дисциплины

9.1. Литература по дисциплине:

№ п/п	Автор, название, место издания, издательство, год издания	литеј	пичие ратуры лиотеке
	2	Кол. экз.	Электр. адрес ресурса
1.	Молекулярная биология /Коничев А. С. [Текст] : учеб. для высш. проф. образования 4-е изд., перераб. и доп М. : Академия, 2012 400 с.	33	-
2.	Молекулярная биология: рибосомы и биосинтез белка /Спирин А. С. [Текст]: учеб. для вузов М.: Академия, 2011 496 с.	50	-
3.	Гены/ Льюин Б. [Текст] М.: БИНОМ. Лаборатория знаний, 2012 896 с Пер. изд.: Genes IX / B. Lewin. Boston etc.: Jones and Bartlett publ.	70	-
4.	Основы молекулярной биологии клетки [Текст] / Б. Альбертс, Д. Брей, К. Хопкин и др.; пер. с англ. под ред. С. М. Глаголева, Д. В. Ребрикова Москва: БИНОМ. Лаб. знаний, 2015 768 с.: ил. + DVD (Лучший зарубежный учебник) Указ. терм.: с. 751-756 Пер. изд.: Essential cell biology / В. Alberts et all. 3rd ed. New York, London: Garland Science Содерж. DVD: Ориг. изд. на англ. яз	22	-
5.	Молекулярная биология клетки [Текст] : рук. для врачей : пер с англ. / Д. М. Фаллер, Д. Шилдс ; [пер. с англ. А. Анваера и др.] ; под ред. И. Б. Збарского Москва : Бином-Пресс, 2014 256 с. : ил.	20	-
6.	Молекулярная биология клетки [Текст]: с задачами Д. Уилсона и Т. Ханта: [в 3 т.]: пер с англ Москва; Ижевск: Ин-т компьютер. исслед.: Регуляр. и хаот. динамика, 2013 Пер. изд.: Molecular biology of the cell: ref. ed. / В. Alberts et al 5th ed (Garland Science: Taylor & Francis Group) Сплош. паг Т. 1 / под ред. А. А. Миронова, Л. В. Мочаловой / пер. с англ. А. А. Светлова, О. В. Карловой 2013.	4	-
7.	Молекулярная биология клетки [Текст] : с задачами Д. Уилсона и Т. Ханта : [в 3 т.] : пер с англ Москва ; Ижевск : Ин-т компьютер. исслед. : Регуляр. и хаот. динамика, 2013 Пер. изд.: Molecular biology of the cell : ref. ed. / B. Alberts et al 5th ed (Garland Science : Taylor & Francis Group) Сплош. паг Т. 2 / под ред. Е. Н. Богачевой, И. Н. Шатского / пер. с англ. А. А. Дьяконовой, А. В. Дюбы 2013.	4	-
8.	Молекулярная биология клетки [Текст] : с задачами Д. Уилсона и Т. Ханта : [в 3 т.] : пер с англ Москва ; Ижевск : Ин-т компьютер. исслед. : Регуляр. и хаот. динамика, 2013 Пер. изд.: Molecular biology of the cell : ref. ed. / В. Alberts et al 5th ed (Garland Science : Taylor & Francis Group) Сплош. паг Т. 3 / под ред. Е. С. Шилова и др. / пер. с англ. А. Н. Дьяконова и др 2013.	Удален ный доступ	http:// marc.rsm u.ru:802 0/ marcweb 2/ Default.a sp.
9.	Принципы и методы биохимии и молекулярной биологии	Удален	http://

	[Электронный ресурс] : пер. с англ. / под ред. К. Уилсон, Дж. Уолкер. – 2-е изд. (эл.). – Москва: БИНОМ. Лаб. знаний, 2015. – 855 с. – (Методы в биологии).	ный доступ	marc.rsm u.ru:802 0/ marcweb 2/ Default.a sp.
10.	ПЦР в реальном времени [Текст] / [Д. В. Ребриков, Г. А. Саматов, Д. Ю. Трофимов и др.]; под ред. Д. В. Ребрикова 5-е изд Москва: БИНОМ. Лаб. знаний, 2014 223 с.: ил Библиогр. в конце гл Предм. указ.: С. 216-217 Авт. указ. на обороте тит. л. 1	1	-
11.	ПЦР в реальном времени [Электронный ресурс] / [Д. В. Ребриков и др.]; под ред. Д. В. Ребрикова. – 4-е изд. (эл.). – Москва : БИНОМ. Лаб. знаний, 2020. – 223 с.	Удален ный доступ	http:// marc.rsm u.ru:802 0/ marcweb 2/ Default.a sp.

Книгообеспеченность образовательной программы представлена по ссылке https://rsmu.ru/library/resources/knigoobespechennost/

9.2. Перечень ресурсов информационно - телекоммуникационной сети «Интернет», необходимых для освоения дисциплины, профессиональные базы ланных:

Электронное информационное обеспечение и профессиональные базы данных

1. Электронная библиотечная система РНИМУ https://library.rsmu.ru/resources/e-lib/els/

Современные профессиональные базы данных (в том числе международные реферативные базы данных научных изданий) и информационные справочные системы

- 2. Электронно-библиотечные системы, к которым обеспечивается доступ для сотрудников и обучающихся РНИМУ
- 3. Консультант студента https://www.studentlibrary.ru/
- 4. ЭБС «Айбукс» https://ibooks.ru/
- 5. ЭБС «Лань» https://e.lanbook.com/
- 6. ЭБС «ЮРАЙТ» https://urait.ru/
- 7. 3EC «IPR BOOKS» https://www.iprbookshop.ru/
- 8. ЭБС «Букап» https://www.books-up.ru/

Зарубежные ресурсы

- 9. Полнотекстовая коллекция ведущих журналов по биомедицинским исследованиям «Pub Med» https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/
- 10. EMBL (European Molecular Biology Laboratory) Европейская молекулярно-биологическая лаборатория http://www.embl.org/
- 11. PDB (Protein Data Bank) банк данных трёхмерных структур белков и нуклеиновых

- кислот http://www.rcsb.org
- 12. CATH (Class, Architecture, Topology, Homology) иерархическая классификация структур белковых доменов https://www.cathdb.info/
- 13. SCOP (Structural Classification of Proteins) структурная классификация белков http://scop.mrc-lmb.cam.ac.uk/scop)
- 14. Реферативная и аналитическая база научных публикаций и цитирования издательства Elsevier «Scopus» https://www.scopus.com/search/form.uri? display=basic&zone=header&origin=#basic
- 15. Аналитическая и цитатная база данных журнальных статей компании Thomson Reuters «Web of Science» https://clarivate.com/
- 16. Реферативная база Wiley Online Library https://onlinelibrary.wiley.com/
- 17. Полнотекстовая база и обучающие материалы журнала https://www.nejm.org/
- 18. Платформа Nature https://www.nature.com/siteindex
- 19. Архив научных журналов издательства Annual Reviews https://www.annualreviews.org/
- 20. Архив научных журналов издательства Oxford University Press Oxford Academic https://academic.oup.com/journals/?login=true
- 21. Электронная платформа для поиска и выгрузки полнотекстовых статей, опубликованных в зарубежных научных журналах открытого доступа Global eJournals Library http://www.gejlibrary.com/
- 22. Платформа Springer Link https://link.springer.com/
- 23. База рефератов и полных текстов научных статей PNAS Online https://www.pnas.org/

Отечественные ресурсы

- 24. Российская государственная библиотека https://www.rsl.ru/
- 25. Российская национальная библиотека https://nlr.ru/
- 26. Научная электронная библиотека eLIBRARY.RU https://elibrary.ru/
- 27. Сайт вопросов и ответов по молекулярной биологии http://molbiol.ru/
- 28. Биомолекула –начно-популярное интернет-издание https://biomolecula.ru/

9.3. Перечень информационных технологий, используемых при осуществлении образовательного процесса по дисциплине, включая перечень программного обеспечения и информационных справочных систем (при наличии);

- 1. Автоматизированная образовательная среда Университета.
- 2. Балльно-рейтинговая система контроля качества освоения образовательной программы в автоматизированной образовательной системе Университета.
- 3. Перечень программного обеспечения: Microsoft Office Word, Microsoft Office Excel, Microsoft Office Power Point.

9.4. Материально-техническое обеспечение дисциплины

Каждый обучающийся в течение всего периода обучения обеспечен индивидуальным неограниченным доступом к электронной информационно-

образовательной среде университета из любой точки, в которой имеется доступ к информационно-телекоммуникационной сети «Интернет» (далее - сеть «Интернет»), как на территории Университета, так и вне ее.

Электронная информационно-образовательная среда университета обеспечивает:

- ▶ доступ к учебному плану, рабочей программе дисциплины, электронным учебным изданиям и электронным образовательным ресурсам, указанным в рабочей программе дисциплины;
- ▶ формирование электронного портфолио обучающегося, в том числе сохранение его работ и оценок за эти работы.

Помещения представляют собой учебные аудитории для проведения учебных занятий, предусмотренные программой бакалавриата и специалитета, оснащенные техническими средствами обучения (ноутбук, мультимедийный проектор, проекционный экран или интерактивная доска, конференц-микрофон, блок управления оборудованием). Средства обеспечения освоения дисциплины включают лабораторные комнаты для проведения лабораторно-практических занятий со всем необходимым лабораторным оборудованием (микроцентрифуги, камеры для проведения электрофореза, дозаторы различного объёма, амплификаторы ДНК, термостаты твердотельные, аналитические, трансиллюминаторы, спектрофотометры, термошейкеры, холодильники и.т.д.), биохимические реактивы, необходимые расходные материалы, а также мультимедийные наглядные материалы (включая презентации лекционного материала, видеофильмы).

Помещения для самостоятельной работы обучающихся оснащены компьютерной техникой с возможностью подключения к сети «Интернет» и обеспечением доступа в электронную информационно-образовательную среду Университета.

Университет обеспечен необходимым комплектом лицензионного и свободно распространяемого программного обеспечения (состав определяется в рабочей программе дисциплины и подлежит обновлению при необходимости).

Библиотечный фонд укомплектован печатными изданиями из расчета не менее 0,25 экземпляра каждого из изданий, указанных в рабочей программе дисциплины, на одного обучающегося из числа лиц, одновременно осваивающих соответствующую дисциплину.

Обучающимся обеспечен доступ (удаленный доступ), в том числе в случае применения электронного обучения, дистанционных образовательных технологий, к современным профессиональным базам данных и информационным справочным системам, состав которых определяется в рабочей программе дисциплины и подлежит обновлению (при необходимости).

Обучающиеся из числа инвалидов и лиц с OB3 обеспечены печатными и (или) электронными образовательными ресурсами в формах, адаптированных к ограничениям их здоровья.

Приложения:

1. Оценочные	средства	ДЛЯ	проведения	текущего	о контроля	успеваемости
обучающихся по дисц	иплине.					
2. Оценочные	средства	Д.	пя проведе	ния пр	омежуточной	аттестации
обучающихся по дисц	иплине.					

И. о заведующего кафедрой	/Прохорчук Е.Б./
ii. o subsectional a machapen	

	Содержание	Стр.
1.	Общие положения	4
2.	Формы работы обучающихся, виды учебных занятий и их трудоёмкость	7
3.	Содержание дисциплины (модуля)	7
4.	Тематический план дисциплины (модуля)	15
5.	Фонд оценочных средств для проведения текущего контроля успеваемости обучающихся по дисциплине	20
6.	Организация промежуточной аттестации обучающихся	22
7.	Фонд оценочных средств для проведения промежуточной аттестации обучающихся по дисциплине (модулю)	24
8.	Методические указания обучающимся по освоению дисциплины (модуля)	26
9.	Учебно-методическое, информационное и материально-техническое обеспечение дисциплины (модуля)	29
	Приложения:	
1)	Оценочные средства для проведения текущего контроля успеваемости обучающихся по дисциплине (модулю).	32
2)	Оценочные средства для проведения промежуточной аттестации обучающихся по дисциплине (модулю).	32