

СВЕДЕНИЯ

об официальном оппоненте по диссертации Сазоновой Маргариты Александровны на тему: «Связь мутаций митохондриального генома с формированием атеросклеротических поражений артериальной стенки», представленной на соискание ученой степени доктора биологических наук по специальности 03.02.07 – генетика

ФИО	Год рождения, гражданство	Место основной работы, должность	Ученая степень, ученое звание, отрасль науки, специальность	Основные научные работы
Даниленко Валерий Николаевич	1947 Российское	Федеральное государственное бюджетное учреждение науки «Институт общей генетики имени Н.И.Вавилова» Российской академии наук, Заведующий отделом генетических основ биотехнологии,	Доктор биологических наук, профессор, Биологические науки, 03.02.07 - Генетика	<p>1. Zakharevich N.V., Averina O.V., Klimina K. M., Kudryavtseva A.V., Kasianov, A.S., Makeev V.J., Danilenko V.N. Complete Genome Sequence of <i>Bifidobacterium longum</i> GT15: Identification and Characterization of Unique and Global Regulatory Genes. // <i>Microb. Ecol.</i> 2015. V.70. P.819–834. Doi: 10.1007/s00248-015-0603-x</p> <p>2. Маслов Д.А., Беккер О.Б., Шур К.В., Ватлин А.А., Коротина А.В., Даниленко В.Н. Полногеномное секвенирование и сравнительный</p>

				<p>геномный анализ мутантов <i>Mycobacterium Smegmatis</i>, устойчивых к соединениям класса замещенных имидазо[1,2-В][1,2,4,5]тетразинов - кандидатов в противотуберкулезные препараты. //Вестник Российского государственного медицинского университета. 2018. № 3. С.20-23.</p> <p>3. Беккер О.Б., Ватлин А.А., Лысенкова Л.Н., Щекотихин А.Е., Даниленко В.Н. Полногеномное секвенирование и анализ мутаций штамма <i>Streptomyces Fradiae</i> ATCC19609-OLG4R, устойчивого к (33S)-33-дезоксидезокси-33-тиоцианатоолигомицину А. // Генетика. 2017. Т. 53. №9. С. 1105-1108.</p> <p>4. Шур К.В., Маслов Д.А., Беккер О.Б., Даниленко В.Н. Генотипирование клинических изолятов <i>Mycobacterium Tuberculosis</i>, выделенных в московском регионе, методом MIRU-VNTR. // Вестник</p>
--	--	--	--	--

				<p>Российского государственного медицинского университета. 2017. № 1. С.48-51.</p> <p>5. Mikhecheva N.E., Zaychikova M.V., Danilenko V.N., Melerzanov A.V. A nonsynonymous SNP catalog of Mycobacterium Tuberculosis virulence genes and its use for detecting new potentially virulent sublineages. // Genome Biology and Evolution. 2017. Т. 9. № 4. С.887-899.</p> <p>6. Shur K.V., Zaychikova M.V., Mikhecheva N.E., Klimina K.M., Bekker O.B., Zhdanova S.N., Ogarkov O.B., Danilenko V.N. Draft genome sequence of mycobacterium Tuberculosis Strain B9741 of BEIJING B0/W lineage from HIV positive patient from Siberia. // Genomics Data. 2016. Т.10. С.61-62.</p>
--	--	--	--	---